

# NGS

## VIASURE



Amplificación eficiente

**OneStep multiplex qPCR**  
para cubrir las regiones V1, V2,  
V3, V4 del gen 16SrRNA.



Precisión cuantitativa

La qPCR garantiza una  
cuantificación **inmediata y**  
**precisa de las librerías.**



Proceso simplificado

qPCR, cuantificación, pooling y  
purificación **sencillo.**



Análisis exhaustivo

**Software V-Xplora** para una  
interpretación perfecta de los  
datos.



/01

**ENRIQUECIMIENTO  
E INDEXADO**



/02

**POOLING**



/03

**LIBRERÍA  
FINAL**



/04

**SECUENCIACIÓN**



/05

**ANÁLISIS  
DE DATOS**

**certest**

NGS/16SV14-0525ES

Derechos de modificación reservados. Todos los derechos reservados. © Certest Biotec, S.L.  
Los productos, servicios y datos mostrados en este documento pueden  
sufrir cambios y/o modificaciones sobre los textos e imágenes expuestos.

Pol. Industrial Río Gállego II - Calle J, Nº1 50840, San Mateo de Gállego, Zaragoza (Spain)



(+34) 976 520 354



viasure@certest.es

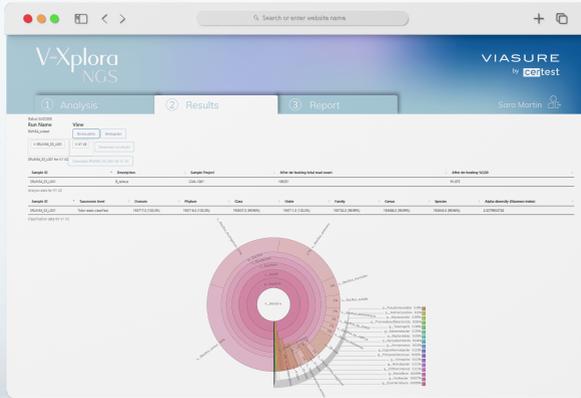


www.certest.es

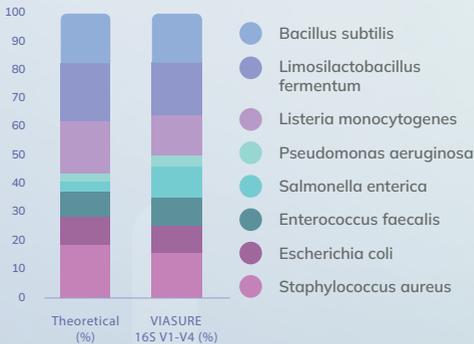
# VIASURE 16S V1-V4

## NGS Solution

(VS-16S-V1448PHRUO)\*



Consigue resultados fiables y precisos sin esfuerzo.



Método de enriquecimiento  
Plataformas

Amplicon-based  
Illumina (MiSeq) y Element  
Biosciences-AVITI

Tamaño de librería  
Requisitos de entrada  
de ADN

500-600 bp  
5 µL of your sample.  
No need to worry about input

Nº de pools por panel  
Tipos de muestra admitidos

1  
Muestras biológicas o cultivo

Análisis secuenciación  
Plexity

Software V-Xplora

Tiempo de trabajo

Hasta 48  
<30 min

AMPLIFY  
YOUR RESEARCH  
*to excellence*

\*Sólo para uso en investigación (RUO).  
No para uso en procedimientos de diagnóstico.