

VIASURE

Real Time PCR Detection Kits

by CerTest
BIOTEC

SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV

Handbook for the following references/

Handbok för följande referenser:

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System

BD REF 444217

to be used with the BD MAX™ System

för användning med BD MAX™-systemet



ENGLISH

1. Intended use

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System is an automated real-time RT-PCR test designed for the qualitative detection and differentiation of RNA from the SARS-CoV-2, Influenza A (Flu A), Influenza B (Flu B) and/or Human Respiratory Syncytial Virus A/B (RSV) in respiratory samples from individuals suspected of COVID-19 or other respiratory infection by their healthcare provider. This test is intended to be used as an aid in the identification of the presence of the SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and/or RSV viral RNA. The assay uses the BD MAX™ System for automated extraction of RNA and subsequent real-time RT-PCR employing the reagents provided combined with universal reagents and disposables for the BD MAX™ System. RNA is extracted from respiratory specimens, amplified using RT-PCR and detected using fluorescent reporter dye probes specific for SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and/or RSV.

2. Summary and Explanation

Coronavirus are enveloped non-segmented positive-sense RNA viruses and belong to Coronaviridae family. There are six coronavirus species known to cause human diseases. Four viruses (229E, OC43, NL63 and HKU1) cause common cold symptoms and the other two (severe acute respiratory syndrome coronavirus (SARS-CoV) and Middle East respiratory syndrome coronavirus (MERS-CoV)) are zoonotic and producing more severe complications. SARS-CoV and MERS-CoV have caused more than 10,000 cumulative cases in the past two decades, with mortality rates of 34% MERS-CoV and 10% SARS-CoV.

In December 2019, some people that worked at or lived around the Huanan seafood market in Wuhan, Hubei Province, China, have presented pneumonia of unknown cause. Deep sequencing analysis of the respiratory samples indicated a novel coronavirus, which was named firstly 2019 novel coronavirus (2019-nCoV) and lately SARS-CoV-2.

Human-to-human transmission of the SARS-CoV-2 has been confirmed, even in the incubation period without symptoms, and the virus causes severe respiratory illness like those SARS-CoV produced. Although the pneumonia is the principal illness associated, a few patients have developed severe pneumonia, pulmonary edema, acute respiratory distress syndrome, or multiple organ failure and death. Centers of Disease Control and Prevention (CDC) believes that symptoms of SARS-CoV-2 may appear in as few as 2 days or as long as 14 days after exposure, being the most common fever or chills, cough, fatigue, anorexia, myalgia and dyspnea. Less common symptoms are sore throat, nasal congestion, headache, diarrhea, nausea and vomiting. Loss of smell (anosmia) or loss of taste (ageusia) preceding the onset of respiratory symptoms has also been reported. Older adults and people who have severe underlying medical conditions like heart or lung disease or diabetes seem to be at higher risk for developing more serious complications from COVID-19 illness.

CDC recommends upper respiratory tract specimens (nasopharyngeal (NP) and oropharyngeal (OP) swabs, nasal mid-turbinate swab, nasal swab, nasopharyngeal wash/aspirate or nasal wash/aspirate (NW) specimens collected mainly by a healthcare provider) and/or lower respiratory specimens (sputum, endotracheal aspirate, or



bronchoalveolar lavage in patients with more severe respiratory disease) for the identification of SARS-CoV-2 and other respiratory viruses, such as Influenza and RSV.

Influenza viruses belong to the *Orthomyxoviridae* family and cause the majority of viral lower respiratory tract infections. Influenza A and B are a significant cause of morbidity and mortality worldwide, considering that elderly and compromised individuals are especially at risk of developing severe illness and complications such as pneumonia. People feel some or all of these symptoms: fever or feeling feverish/chills, cough, sore throat, nasal stuffiness and discharge, myalgia, headaches, and anorexia. The influenza viruses can be spread from person to person in two different ways: through the air (large droplets and aerosols from sneezing and coughing), and by direct or indirect contact.

Influenza A and B are an enveloped, single stranded RNA viruses that contain eight segmented strands of genome RNA, which typically encodes 11 or 12 viral proteins. The viral envelope, derived from the host plasma membrane, consists of a lipid bilayer containing transmembrane proteins, like hemagglutinin (HA) and neuraminidase (NA), and matrix proteins M1 and M2. Influenza A viruses are further classified into subtypes based on the antigenicity of their "HA" and "NA" molecules, whereas Influenza B is divided into 2 antigenically and genetically distinct lineages, Victoria and Yamagata.

Human respiratory syncytial viruses A and B (RSV) belong to the *Paramyxoviridae* family and are the most important viral agents of acute respiratory infections. RSV is an enveloped, nonsegmented, negative, single stranded linear RNA genome virus. Respiratory syncytial virus is a common contributor of respiratory infections causing bronchitis, pneumonia, and chronic obstructive pulmonary infections in people of all ages. People often feel some or all of these symptoms: rhinorrhea, low-grade fever, cough, sore throat, headache, and wheezing. RSV is transmitted via large nasopharyngeal secretion droplets from infected individuals, close contact, or self-inoculation after touching contaminated surfaces.

Diagnosis can be problematic, as a wide range of pathogens can cause acute respiratory infections presenting with similar clinical syndromes. Real-time PCR assays have been shown to be a sensitive and specific diagnostic tool for the detection of SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and RSV viruses.

3. Principle of the procedure

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System is designed for the identification of SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and /or RSV in respiratory samples. The detection is done in one step real-time RT-PCR format where the reverse transcription and the subsequent amplification of specific target sequence occur in the same reaction tube. The isolated RNA target is transcribed generating complementary DNA by reverse transcriptase which is followed by the amplification of two conserved regions of N gene (N1 and N2) for SARS-CoV-2, a conserved region of the M1 gene for Flu A and Flu B, and a conserved region of the N gene for RSV using specific primers and fluorescent-labeled probes.

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System is based on 5' exonuclease activity of DNA polymerase. During DNA amplification, this enzyme cleaves the probe bound to the complementary DNA sequence, separating the quencher dye from the reporter. This reaction generates an increase in the



fluorescent signal which is proportional to the quantity of the target template. This fluorescence is measured on the BD MAX™ System.

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System is composed of two different reaction tubes. One of the tubes detects and differentiates the RNA from Flu A, Flu B and/or RSV (Transparent Red or 1A foil) and the other tube detects specifically the RNA from SARS-CoV-2 (Transparent Green or 1G foil). Each tube contains all the components necessary for real-time PCR assay (specific primers/probes, dNTPS, buffer, polymerase, reverse-transcriptase) in a stabilized format, as well as an internal control (endogenous in the SARS-CoV-2 reaction tube) to monitor the extraction process and/or inhibition of the polymerase activity. The SARS-CoV-2 assay uses a human housekeeping gene as an endogenous Internal Control (human RNase P gene). Human housekeeping genes are involved in basic cell maintenance and, therefore, are expected to be present in all nucleated human cells and maintain relatively constant expression levels. Each RNA targets are amplified and detected in specific channels (475/520, 585/630, and/or 630/665) and the internal control (IC) in channel 530/565. In the Flu A, Flu B and/or RSV assay, Flu A RNA target is amplified and detected in channel 475/520, Influenza B RNA target in channel 585/630, RSV RNA target in channel 630/665 and the internal control (IC) of this assay in channel 530/565. In SARS-CoV-2 assay, N2 target is amplified and detected in channel 475/520, N1 target in channel 630/665 and the endogenous internal control (IC) in channel 530/565.

4. Reagents provided

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System includes the following materials and reagents detailed in Table 1:

Reference	Reagent/Material	Description	Color/Barcode	Amount
VS-ABR212R	Flu A, Flu B & RSV reaction tube	A mix of enzymes, primers probes, buffer, dNTPs, stabilizers and internal control in stabilized format	Transparent Red or 1A foil	2 pouches of 12 tubes
VS-NCO312	SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube	A mix of enzymes, primers probes, buffer, dNTPs, stabilizers and endogenous internal control in stabilized format	Transparent Green or 1G foil	2 pouches of 12 tubes
VS-RB09	Rehydration Buffer tube	Solution to reconstitute the stabilized product	Transparent Orange or 1I foil	1 pouch of 24 tubes

Table 1. Reagents and materials provided in VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System with Cat. N°. VS-FNR124 (444217).

5. Reagents and equipment to be supplied by the user

The following list includes the materials and equipment that are required for use but not included in the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System.

- Real-time PCR instrument: BD MAX™ System.
- BD MAX™ ExK™ TNA-3 (Ref:442827 or 442828)
- BD MAX™ PCR Cartridges (Ref: 437519)



- Vortex.
- Micropipettes (accurate between 2 and 1000 µL).
- Filter tips.
- Powder-free disposable gloves

6. Transport and storage conditions

- The kits can be shipped and stored at 2-40°C until the expiration date which is stated on the label.
- After opening the aluminum pouches which contain the reaction tubes can be used up to 28 days.

7. Precautions for users

- The product is intended for use by professional users only, such as laboratory or health professionals and technicians, trained in molecular biological techniques.
- For *in vitro* diagnostic use.
- Do not use expired reagents and/or materials.
- Do not use the kit if the label that seals the outer box is broken.
- Do not use reagents if the protective box is open or broken upon arrival.
- Do not use reagents if the protective pouches are open or broken upon arrival.
- Do not use reagents if desiccant is not present or broken inside reagent pouches.
- Do not remove desiccant from reagent pouches.
- Close protective pouches of reagents promptly with the zip seal after each use. Remove any excess air in the pouches prior to sealing.
- Do not use reagents if the foil has been broken or damaged.
- Do not mix reagents from different pouches and/or kits and/or lots.
- Protect reagents from humidity. Prolonged exposure to humidity may affect product performance.
- Keep components away from light.
- In cases where other PCR tests are conducted in the same general area of the laboratory, care must be taken to ensure that the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System, BD MAX™ ExK™ TNA-3 extraction kit, any additional reagents required for testing, and the BD MAX™ System are not contaminated. Avoid microbial and ribonuclease (RNase)/deoxyribonuclease (DNase) contamination of reagents at all times. The use of sterile RNase/DNase-free disposable aerosol resistant or positive displacement pipette tips is recommended. Use a new tip for each specimen. Gloves must be changed before manipulating reagents and cartridges.
- Make sure to use a tube to determine RNA from Influenza A, Influenza B and RSV in Snap-In 2 (green position) and another tube to determine RNA from SARS-CoV-2 in Snap-In 4 (blue position). Be careful not to mix them throughout the entire process.
- To avoid contamination of the environment by amplicons, do not break apart the BD MAX™ PCR Cartridge after use. The seals of the BD MAX™ PCR Cartridge are designed to prevent contamination.
- Design a unidirectional workflow. It should begin in the Extraction Area and then move to the Amplification and Detection Area. Do not return samples, equipment and reagents to the area in which the previous step was performed.



- Follow Good Laboratory Practices. Wear protective clothing, use disposable gloves, goggles and mask. Do not eat, drink or smoke in the working area. Wash your hands after finishing the test.
- Samples must be treated as potentially infectious as well as all the reagents and materials that have been exposed to the samples and they must be handled according to the national safety regulations. Take necessary precautions during the collection, storage, treatment and disposal of samples.
- Regular decontamination of commonly used equipment is recommended, especially micropipettes and work surfaces.
- Consult the BD MAX™ System User's Manual for additional warnings, precautions and procedures.

8. Procedure

8.1. SAMPLE COLLECTION, STORAGE AND TRANSPORT

The VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System has been validated on nasopharyngeal/ oropharyngeal swab collected in viral transport media (VTM) Vircell S.L., Spain).

Other types of samples from nasopharyngeal/oropharyngeal swabs in VTM must be validated by the user.

Collection, storage and transport specimens should be maintained per the conditions validated by the user. Overall, respiratory samples should be collected and labelled appropriately in clean containers with or without transport media (depending on sample type) and processed as soon as possible to guarantee the quality of the test. The specimens should be transported at 2 to 8°C for up to 48 hours, following the local and national regulations for the transport of pathogen material. For long term transport (more than 48 hours), we recommend shipping at ≤ -20°C. It is recommended to use fresh specimens for the test. The samples can be stored at 2 to 8°C for up to 48 hours or frozen at -20°C or ideally at -70°C for conservation. Repeated freeze-thaw cycles should be avoided in order to prevent degradation of the sample and nucleic acids.

8.2. SAMPLE PREPARATION AND RNA EXTRACTION

Perform the sample preparation according to the recommendations in the instructions for use of extraction kit used, BD MAX™ ExK™ TNA-3. Note that some other samples may require pre-processing. Application-specific extraction preparation procedures should be developed and validated by the user.

1. Pipette 400 µL of nasopharyngeal/ oropharyngeal swab collected in viral transport media (VTM) into a BD MAX™ TNA-3 Sample Buffer Tube and close the tube with a septum cap. Ensure complete mixing by vortexing the sample at high speed for 1 minute. Proceed to BD MAX™ System Operation.

Note: The Flu A, Flu B & RSV reaction tube has been validated with a sample volume of 200-400 µL and the SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube with a sample volume of 400-750 µL.

8.3. PCR PROTOCOL

Note: Please, refer to the BD MAX™ System User's Manual for detailed instructions.



8.3.1. Creating PCR test program for VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System

Note: If you have already created the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection test, you can skip step 8.3.1 and go directly to 8.3.2.

- 1) On the "Run" screen of the BD MAX™ System, select the "Test Editor" tab.
- 2) Click the "Create" button.
- 3) In the Basic Information tab, within the "Test Name" window, name your test: i.e. VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV (VSARSCoV2,FluA+B,RSV).
- 4) In the "Extraction Type" drop down menu, select "ExK TNA-3".
- 5) In the "Master Mix Format" drop down menu, choose "Dual Master Mix Concentrated Lyophilized MM with Rehydration Buffer (Type 5)".
- 6) In the "Sample extraction parameters" select "User defined" and adjust sample volume to 950 µL.
- 7) In the "Ct Calculation" select "Call Ct at Threshold Crossing".
- 8) If running software version 5.00 or higher and have barcoded foil snap-in tubes, in the "Custom Barcodes" select the following configuration:
 - a. Snap-In 2 Barcode: 1A (concerning Flu A, Flu B & RSV reaction tube)
 - b. Snap-In 3 Barcode: 11 (concerning Rehydration Buffer tube)
 - c. Snap-In 4 Barcode: 1G (concerning SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube)
- 9) "PCR Settings" and "Test Steps" must be completed for Snap-In 2 (green) and Snap-In 4 (blue) positions.
- 10) Snap-In 2 (green). In "PCR settings" tab enter the following parameters: "Channel Settings", "Gains" and "Threshold" (Table 2).

Channel	Alias	Gain	Threshold	Ct Min	Ct Max
475/520 (FAM)	Flu A	60	100	0	40
530/565 (HEX)	IC	80	300	0	40
585/630 (ROX)	Flu B	60	200	0	40
630/665 (Cy5)	RSV	60	150	0	40
680/715 (Cy5.5)	-	0	0	0	0

Table 2. PCR settings.

Note: It is recommended to set the minimum threshold values listed above for each channel as a starting point, but the final settings must be determined by the end-user during the result interpretation in order to ensure that thresholds fall within the exponential phase of the fluorescence curves and above any background signal. The threshold value for different instruments may vary due to different signal intensities.

- 11) Snap-In 2 (green). In "PCR settings" tab enter the following parameters "Spectral Cross Talk" (Table 3), as well.



	False Receiving Channel				
Channel	475/520	530/565	585/630	630/665	680/715
Excitation Channel	475/520	-	0.0	0.0	0.0
	530/565	0.0	-	2.0	0.0
	585/630	0.0	0.0	-	0.0
	630/665	0.0	0.0	4.0	-
	680/715	0.0	0.0	0.0	-

Table 3. Spectral cross-talk parameters.

12) Snap-In 2 (green). In “Test Steps” tab, enter the PCR protocol (Table 4).

Step Name	Profile Type	Cycles	Time (s)	Temperature	Detect
Reverse transcription	Hold	1	900	45°C	-
Initial denaturation	Hold	1	120	98°C	-
Denaturation and Annealing/Extension (Data collection)	2-Temperature	45	10	95°C	-
			61.1	63°C	✓

Table 4. PCR protocol.

13) Snap-In 4 (blue). In “PCR settings” tab enter the following parameters: “Channel Settings”, “Gains” and “Threshold” (Table 5).

Channel	Alias	Gain	Threshold	Ct Min	Ct Max
475/520 (FAM)	SARS-CoV-2 N2 target	80	150	0	40
530/565 (HEX)	Endogenous IC	80	150	0	35
585/630 (ROX)	-	0	0	0	0
630/665 (Cy5)	SARS-CoV-2 N1 target	80	150	0	40
680/715 (Cy5.5)	-	0	0	0	0

Table 5. PCR settings.

Note: It is recommended to set the minimum threshold values listed above for each channel as a starting point, but the final settings must be determined by the end-user during the result interpretation in order to ensure that thresholds fall within the exponential phase of the fluorescence curves and above any background signal. The threshold value for different instruments may vary due to different signal intensities.

14) Snap-In 4 (blue). In “PCR settings” tab enter the following parameters “Spectral Cross Talk” (Table 6), as well.



		False Receiving Channel				
Channel		475/520	530/565	585/630	630/665	680/715
Excitation Channel	475/520	-	3.0	0.0	0.0	0.0
	530/565	1.0	-	0.0	0.0	0.0
	585/630	0.0	0.0	-	0.0	0.0
	630/665	0.0	0.0	0.0	-	0.0
	680/715	0.0	0.0	0.0	0.0	-

Table 6. Spectral cross-talk parameters.

- 15) Snap-In 4 (blue). In "Test Steps" tab, enter the PCR protocol (Table 7).

Step Name	Profile Type	Cycles	Time (s)	Temperature	Detect
Reverse transcription	Hold	1	900	45°C	-
Initial denaturation	Hold	1	120	98°C	-
Denaturation and Annealing/Extension (Data collection)	2-Temperature	45	10	95°C	-
			61.1	63°C	✓

Table 7. PCR protocol.

- 16) Click the "Save Test" button.

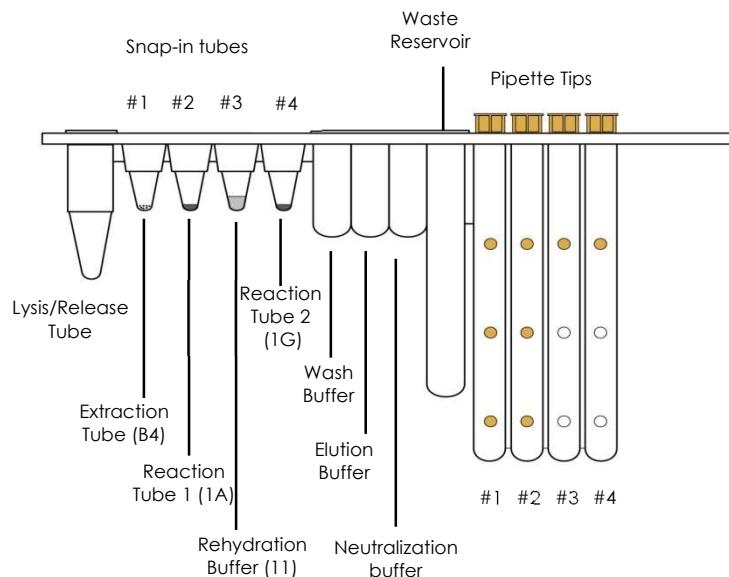
8.3.2. BD MAX™ Rack set up

- For each sample to be tested, remove one Unitized Reagent Strips from the BD MAX™ ExK TNA-3 kit. Gently tap each strip onto a hard surface to ensure that all the liquids are at the bottom of the tubes and load on the BD MAX™ System sample racks.
- Remove the required number of BD MAX™ ExK™ TNA Extraction Tubes (B4) (white foil) from their protective pouch. Snap the Extraction Tube(s) (white foil) into its corresponding positions in the TNA strip (Snap position 1, white color coding on the rack. See Figure 1). Remove excess air, and close pouch with the zip seal.
- Determine and separate the appropriate number of Flu A, Flu B & RSV reaction tubes (red or 1A foil) and snap into their corresponding positions in the strip (Snap position 2, green color coding on the rack. See Figure 1).
 - Remove excess air, and close aluminum pouches with the zip seal.
 - In order to carry out a correct rehydration, please make sure that the lyophilized product is in the bottom of the tube and is not adhered to the top area of the tube or to the foil seal. Gently tap each tube on a hard surface to make sure all the product is at the bottom of the tube.
- Remove the required number of Rehydration Buffer tubes (orange or 11 foil) and snap into their corresponding positions in the strip (Snap position 3, non-color coding on the rack. See Figure 1). Remove excess air, and close the pouch with the zip seal.
 - In order to ensure a correct transfer, please make sure that the liquid is in the bottom of the tube and is not adhered to the top area of the tube or to the foil seal. Gently tap each tube on a hard surface to make sure all the product is at the bottom of the tube.



- 5) Determine and separate the appropriate number of SARS-CoV-2 ($N_1 + N_2$) reaction tubes (green or 1G foil) and snap into their corresponding positions in the strip (Snap position 4, blue color coding on the rack). See Figure 1).
- Remove excess air, and close aluminum pouches with the zip seal.
 - In order to carry out a correct rehydration, please make sure that the lyophilized product is in the bottom of the tube and is not adhered to the top area of the tube or to the foil seal. Gently tap each tube on a hard surface to make sure all the product is at the bottom of the tube.

Figure 1. BD MAX™ TNA Reagent Strip (TNA) from the BD MAX™ ExK TNA-3 kit.



8.3.3. BD MAX™ Instrument set up

- Select the "Work List" tab on the "Run" screen of the BD MAX™ System software v4.50A or higher.
- In the "Test" drop down menu, select VSARSCoV2, FluA+B, RSV (if not already created see Section 8.3.1).
- Select the appropriate kit lot number (found on the outer box of extraction kit used) from the pull down menu (optional).
- Enter the Sample Buffer Tube identification number into the Sample tube window of the Worklist, either by scanning the barcode with the scanner or by manual entry.
- Fill the Specimen/Patient ID and/or Accession window of the Worklist and click the "Save" button. Continue until all Sample Buffer Tubes are entered. Ensure that the specimen/patient ID and the Sample Buffer Tubes are accurately matched.
- Place the prepared Sample Buffer Tube into the BD MAX™ Rack(s).
- Load the rack(s) into the BD MAX™ System (Rack A is positioned on the left side of the BD MAX™ System and Rack B on the right side).
- Place the required number of BD MAX™ PCR Cartridge(s) into the BD MAX™ System.
- Close the BD MAX™ System door.
- Click "Start Run" to begin the procedure.



8.3.4 BD MAX™ report

- 1) In main menu, click the "Results" button.
- 2) Either double click on your run in the list or press the "view button".
- 3) Click on "Print", select: "Run Details, Test Details and Plot..."
- 4) Click on "Print or Export button" on the "Run Reports" screen.

9. Result interpretation

For a detailed description on how to analyze data, refer to the BD MAX™ System User's manual.

The analysis of the data is done by the BD MAX™ software according to the manufacturer's instructions. The BD MAX™ software reports Ct values and amplification curves for each detector channel of each sample tested in the following way:

- Ct value of 0 indicates that there was no Ct value calculated by the software with the specified Threshold (see Table 2). Amplification curve of the sample showing a "0" Ct value must be checked manually.
- Ct value of -1 indicates that no amplification process has occurred.
- Any other Ct value should be interpreted in correlation with the amplification curve and according to the sample interpretation guidelines outlined in Tables 8 and 9.

Check Internal Control signal to verify the correct functioning of the amplification mix. In addition, check that there is no report of BD MAX™ System failure.

Results should be read and analyzed using the following tables:

- a. Flu A, Flu B & RSV reaction tube: Snap-In 2

Flu A (475/520)	Flu B (585/630)	RSV (630/665)	Internal control (530/565)	Interpretation
+	+	+	+/- ¹	Flu A, Flu B and RSV RNA Detected¹
+	-	-	+/- ¹	Flu A RNA Detected, Flu B and RSV RNA Not Detected¹
+	+	-	+/- ¹	Flu A and Flu B RNA Detected, and RSV RNA Not Detected¹
+	-	+	+/- ¹	Flu A and RSV RNA Detected, and Flu B RNA Not Detected¹
-	+	-	+/- ¹	Flu B RNA Detected, Flu A and RSV RNA Not Detected¹
-	+	+	+/- ¹	Flu B and RSV RNA Detected, Flu A RNA Not Detected¹
-	-	+	+/- ¹	RSV RNA Detected, Flu A and Flu B RNA Not Detected¹
-	-	-	+ ²	Flu A, Flu B and RSV RNA Not Detected²
-	-	-	- ²	Unresolved (UNR) Result obtained in the presence of inhibitors in the PCR reaction or when a general problem (not reported by an error code) with the sample processing and/or amplification steps occurs.²
IND	IND	IND	IND	Indeterminate assay result (IND). Due to BD MAX™ System failure. Assay result displayed in case of an instrument failure linked to an error code.
INC	INC	INC	INC	Incomplete assay result (INC). Due to BD MAX™ System failure. Assay result displayed in case of failure to complete run.

Table 8. Sample interpretation Flu A, Flu B & RSV reaction tube

+: Amplification occurred

-: No amplification occurred



1 A sample is considered positive if the Ct value obtained is less than 40. The internal control may or may not show an amplification signal, because a high copy number of target can cause preferential amplification of target-specific nucleic acids instead of the internal control. In these cases, the detection of the IC is not necessary.

2 A sample is considered negative, if the sample shows no amplification signal in the detection system but the internal control is positive (Ct less than 40). An inhibition of the PCR reaction can be excluded by the amplification of internal control. In case of unresolved results (UNR), absence of internal control signal in negative sample it is recommended to repeat the assay.

b. SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube: Snap-In 4

SARS-CoV-2 (N2 target) (475/520)	Endogenous Internal Control (530/565)	SARS-CoV-2 (N1 target) (630/665)	Interpretation
+	+/- ³	+	SARS-CoV-2 N gene RNA Detected³
+ ⁴	+/- ³	-	SARS-CoV-2 N gene RNA Detected^{3,4}
-	+/- ³	+ ⁴	SARS-CoV-2 N gene RNA Detected^{3,4}
-	+ ⁵	-	SARS-CoV-2 N gene RNA Not Detected⁵
-	- ⁵	-	Unresolved (UNR) Result obtained in the presence of inhibitors in the PCR reaction or when a general problem (not reported by an error code) with the sample processing and/or amplification steps occurs.⁵
IND	IND	IND	Indeterminate assay result (IND). Due to BD MAX™ System failure. Assay result displayed in case of an instrument failure linked to an error code.
INC	INC	INC	Incomplete assay result (INC). Due to BD MAX™ System failure. Assay result displayed in case of failure to complete run.

Table 9. Sample interpretation SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube

+: Amplification occurred

-: No amplification occurred

3 A sample is considered positive if the Ct value obtained is less than 40. The endogenous Internal Control (IC) may or may not show an amplification signal. Sometimes, the IC detection is not necessary because a high copy number of the target can cause preferential amplification of target-specific nucleic acids.

4 If only one target site of the N gene amplifies, verify the sigmoid shape of the curve and the intensity of fluorescence. In case of a doubtful interpretation, depending on the available material, it is also recommended to:

- a) re-extract and re-test another aliquot of the same specimen (if possible, increase sample volume to 750 µl) or,
- b) obtain a new specimen and re-test.

5 In the case of SARS-CoV-2 target sites negative, IC must show an amplification signal with Ct less than 35. The Ct value could be very variable due to the Endogenous Internal Control is a human housekeeping gene that should be present



in all human nucleated cells in the original sample. If there is an absence of signal or Ct value ≥ 35 of the endogenous Internal Control, the result is considered as 'Unresolved', and retesting is required.

In case of a continued ambiguous result, it is recommended to review the instructions for use, the extraction process used by the user; to verify the correct performance of each RT-qPCR steps and review the parameters; and to check the sigmoid shape of the curve and the intensity of fluorescence.

The results of the test should be evaluated by a health care professional in the context of medical history, clinical symptoms and other diagnostic tests.

10. Limitations of the test

- The results of the test should be evaluated by a health care professional in the context of medical history, clinical symptoms and other diagnostic tests.
- Although this assay can be used with other types of samples it has been validated with nasopharyngeal/oropharyngeal swab collected in VTM.
- For good test performance, the lyophilized product should be at the bottom of the tube and not adhered to the top area of the tube or the foil seal. Gently tap each tube on a hard surface to make sure all the product is at the bottom of the tube.
- An appearance of the reaction mixture in stabilized format, normally found at the bottom of the tube, different from the usual one (without conical shape, inhomogeneous, smaller/larger in size and/or color different from whitish) does not alter the functionality of the test.
- The quality of the test depends on the quality of the sample; proper extracted nucleic acid from respiratory samples must be extracted.
- This test is a qualitative test and does not provide quantitative values or indicate the number of organisms present.
- Extremely low levels of target below the limit of detection might be detected, but results may not be reproducible.
- There is a possibility of false positive results due to cross-contamination by SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and/or RSV either samples containing high concentrations of target RNA or contamination due to PCR products from previous reactions.
- The specific primer and probe combinations for detection of conserved regions of N gene (SARS-CoV-2) used in VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System have been designed based on the US CDC assay for specific detection of SARS-CoV-2 by amplifying two unique regions of the N gene. They do not show significant combined homologies with the human genome, human microflora, SARS-CoV or other coronaviruses, which might result in predictable false positive.
- False Negative results may arise from several factors and their combinations, including:
 - Improper specimens' collection, transport, storage, and/or handling methods.
 - Improper processing procedures (including RNA extraction).
 - Degradation of the viral RNA during sample shipping/storage and/or processing.
 - Mutations or polymorphisms in primer or probe binding regions may affect detection of new or unknown SARS-CoV-2, Flu and/or RSV variants.
 - A viral load in the specimen below the limit of detection for the assay.



- The presence of RT-qPCR inhibitors or other types of interfering substances.
- Failure to follow instructions for use and the assay procedure.
- In SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube, a single-target site amplification or even random positive results is suggestive of slightly different amplification yield of the target site of the *N* gene. Samples with low viral load might result in *N* single target amplification. In case of a doubt, it is recommended referring to a reference laboratory for further testing.
- Some samples (in SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube) may fail to exhibit RNase P amplification curves due to low human cell numbers in the original clinical sample. A negative IC signal does not preclude the presence of SARS-CoV-2, Flu and/or RSV RNA in a clinical specimen.
- A positive test result does not necessarily indicate the presence of viable viruses and does not imply that these viruses are infectious or are the causative agents for clinical symptoms. However, a positive result is indicative of the presence of targets viral sequences.
- Negative results do not preclude SARS-CoV-2, Flu and/or RSV infection and should not be used as the sole basis for treatment or other patient management decisions. Optimum specimen types and timing for peak viral levels during infections caused by SARS-CoV-2 and novel Influenza A strain have not been determined. The collection of multiple specimens (types and time points) from the same patient may be necessary to detect the virus.
- If diagnostic tests for other respiratory illnesses are negative and the patient's clinical presentation and epidemiological information suggest that SARS-CoV-2, Flu and/or RSV infection is possible, then a false negative result should be considered, and a re-testing of the patient should be discussed.
- In the case of obtaining Unresolved, Indeterminate or Incomplete results using VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System retesting will be required. Unresolved results may be due to the presence of inhibitors in the sample or an incorrect rehydration of lyophilized reaction mix tube. If there is an instrument failure, Indeterminate or Incomplete results will be obtained.

11. Quality control

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System contains an internal control in each Flu A, Flu B & RSV reaction tube and an endogenous internal control in each SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube which confirms the correct performance of the technique.

12. Performance characteristics

12.1. Clinical sensitivity and specificity

The clinical performance of VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System was tested individually in each reaction tube.

The clinical performance of Flu A, Flu B & RSV reaction tube was tested using 344 respiratory specimens (oropharyngeal swabs) from symptomatic patients. These results were compared with those obtained with a molecular detection method (cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)).

The results were as follows:



Flu A, B & RSV reaction tube	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Total
	+	157	2*	159
	-	7*	178	185
	Total	164	180	344

Table 10. Comparative results for Flu A.

Positive percent agreement is >96% and negative percent agreement is >99%.

*The low amount of template RNA in this respiratory sample is below the detection limit of the method used.

Flu A, Flu B & RSV reaction tube	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Total
	+	99	4*	103
	-	1*	240	241
	Total	100	244	344

Table 11. Comparative results for Flu B.

Positive percent agreement is >99% and negative percent agreement is >98%.

*The low amount of template RNA in this respiratory sample is below the detection limit of the method used.

Flu A, Flu B & RSV reaction tube	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Total
	+	22	4*	26
	-	3*	315	318
	Total	25	319	344

Table 12. Comparative results for RSV.

Positive percent agreement is >88% and negative percent agreement is >99%.

*The low amount of template RNA in this respiratory sample is below the detection limit of the method used.

The clinical performance of SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube was tested using 254 respiratory samples (nasopharyngeal swabs in Vircell Transport medium) from patients with clinical suspicion of COVID-19 disease or other similar respiratory diseases. The results were compared with those obtained with the clinical diagnosis performed with Simplexa™ COVID-19 Direct assay with discrepant analysis performed with the Charité protocol.



SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube	Alternative RT-PCR assays			
		+	-	Total
	+	63	2*	65
	-	0	189	189
	Total	63	191	254

Table 13. Comparative results for SARS-CoV-2.

*Initial diagnose of one of the two samples was invalid and reported to the patient as positive for prevention and quarantine period.

SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube detected two positive samples that were not detected using Simplexa™ COVID-19 Direct assay and the Charité protocol.

The Positive Percent Agreement (PPA) and the Negative Percent Agreement (NPA) for SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube are >99% and 98%, respectively.

Results show high agreement to detect SARS-CoV-2, Flu A, Flu B and/or RSV viruses using VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System.

12.2. Analytical sensitivity

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System has a detection limit of ≥ 10 genome copies per reaction for Flu A, ≥ 20 genome copies per reaction for Flu B, ≥ 2 genome copies per reaction for RSV and ≥ 5 genome copies per reaction for SARS-CoV-2 with a positive rate of $\geq 95\%$ (Figures 2, 3, 4, 5 and 6).

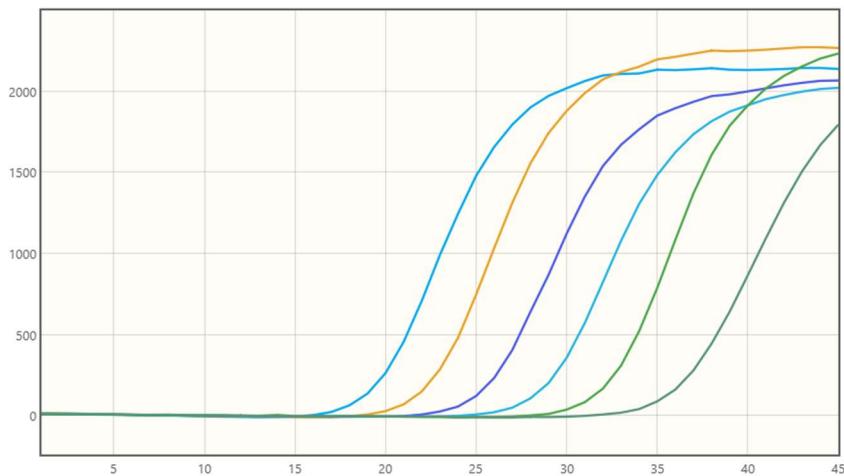
Figure 2. Dilution series of Flu A (2×10^6 - 2×10^1 copies per reaction) template run on the BD MAX™ System (475/520 (FAM) channel).

Figure 3. Dilution series of Flu B (2×10^6 - 2×10^1 copies per reaction) template run on the BD MAX™ System (585/630 (ROX) channel).

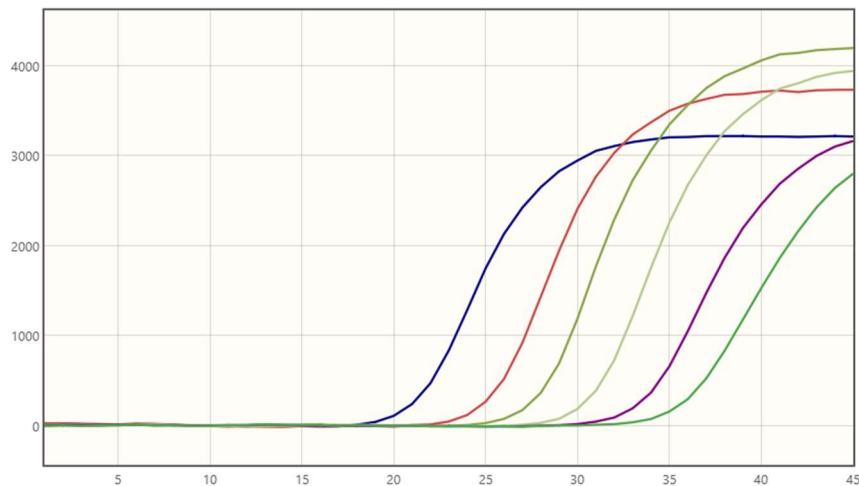


Figure 4. Dilution series of RSV (2×10^6 - 2×10^1 copies per reaction) template run on the BD MAX™ System (630/665 (Cy5) channel).

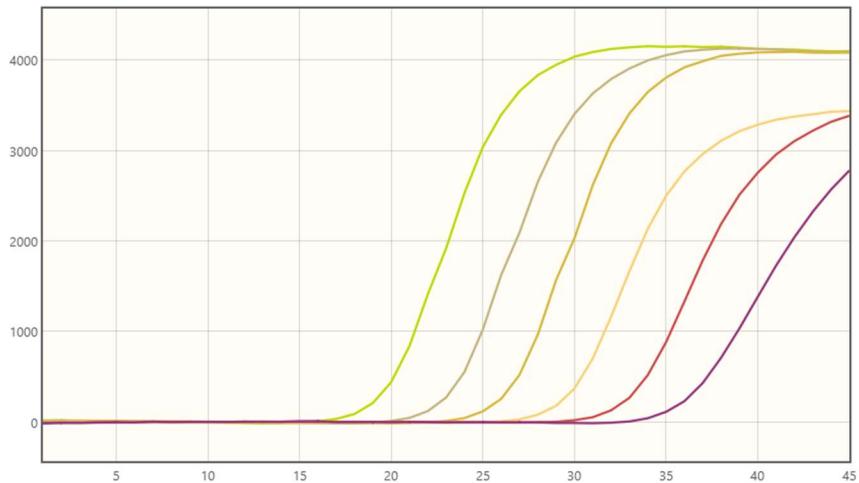


Figure 5. Dilution series of SARS-CoV-2 (N1 + N2) (9.9×10^4 - 9.9×10^0 and 5.0×10^0 genome copies per reaction) template run on the BD MAX™ System (475/520 (FAM) channel).

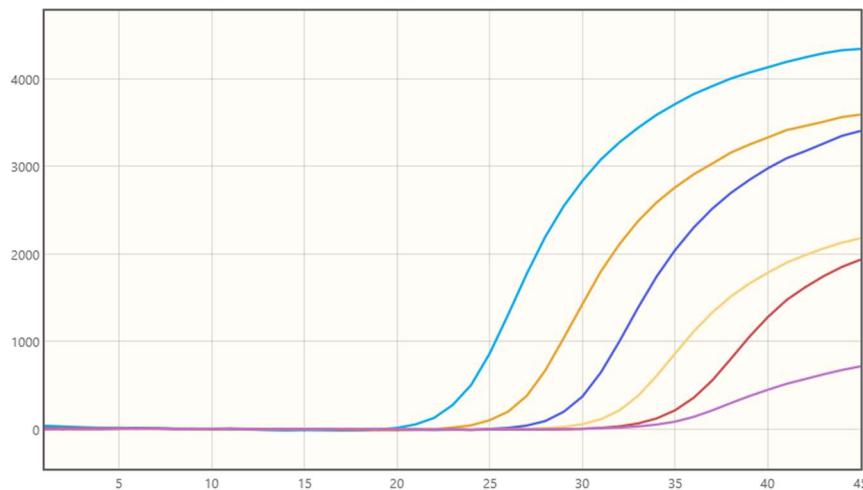
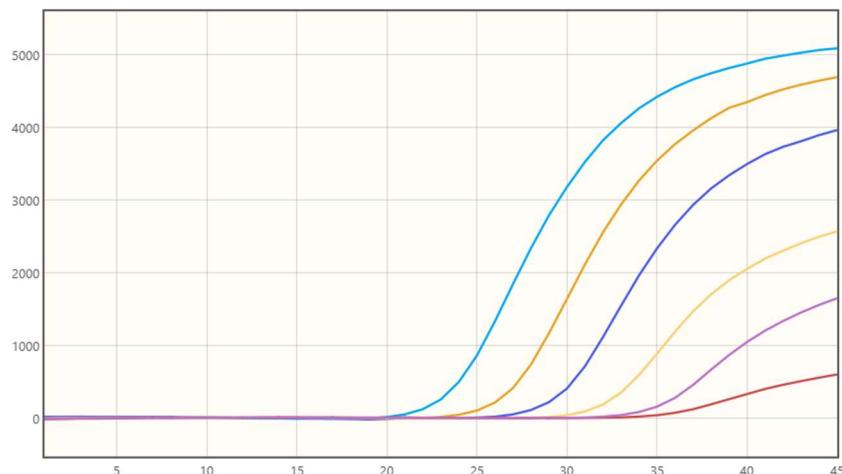


Figure 6. Dilution series of SARS-CoV-2 (N1 + N2) (9.9×10^4 - 9.9×10^0 and 5.0×10^0 genome copies per reaction) template run on the BD MAX™ System (630/665 (Cy5) channel).



12.3. Analytical specificity

The specificity of the SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV assay was confirmed by testing a panel consisting of different microorganisms representing the most common respiratory pathogens. No cross-reactivity was detected between any of the following microorganisms tested, except the targeted pathogens of each assay:

Cross-reactivity testing					
Human Adenovirus types 1-5, 8, 15, 31, 40 and 41	-	Influenza A/Netherlands/398/2014 (H3N2) virus (clade 3C.3a)	-/+	Influenza A/chicken/Hong Kong/G9/1997 x PR8-IBCDC-2 (H9N2) virus	-/+
Bocavirus	-	Influenza A/Netherlands/2393/2015 (H3N2) virus (clade 3C.2a)	-/+	Influenza A/Chicken/Myanmar/433/2016 (H9N2) virus	-/+
<i>Bordetella bronchiseptica</i>	-	Influenza A/Newcastle/607/2019 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Hong Kong/1073/99 (H9N2) virus	-/+
<i>Bordetella holmesii</i>	-	Influenza A/New York/39/2012 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Hong Kong/33982/2009 (H9N2) x PR8-IDCDC-RG26 virus	-/+
<i>Bordetella parapertussis</i>	-	Influenza A/Ohio/2/2012 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Brisbane/60/2008 virus	-/+
<i>Bordetella pertussis</i>	-	Influenza A/Perth/1001/2018 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Colorado/6/2017 virus	-/+
<i>Chlamydia caviae</i>	-	Influenza A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Malaysia/2506/2004 virus	-/+
<i>Chlamydia psittaci</i> genotype A and C	-	Influenza A/South Australia/55/2014 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Maryland/15/2016 virus	-/+
<i>Chlamydophila pneumoniae</i> CM-1	-	Influenza A/South Australia/55/2014, IVR-175 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Netherlands/207/06 virus	-/+
Human coronavirus 229E, OC43, NL63 and HKU1	-	Influenza A/Switzerland/9715293/2013 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Netherlands/2518/2016 (clade 1A) virus	-/+



Cross-reactivity testing						
MERS Coronavirus	-	Influenza A/Texas/50/2012 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Nevada/3/2011 virus	-/+	
SARS Coronavirus Strain Frankfurt 1	-	Influenza A/Thüringen/5/2017 (H3N2) virus (Clade 3C2a.1)	-/+	Influenza B/New Jersey/1/2012 virus	-/+	
SARS-CoV-2 strain BetaCoV/Germany/BavPat1/2020 p.1	-/+	Influenza A/Uruguay/716/2007 (H3N2) (NYMC X-175C) virus	-/+	Influenza B/Texas/02/2013 virus	-/+	
SARS-CoV-2 strain 2019-nCoV/Italy-INMI1	-/+	Influenza A/Victoria/210/2009(H3N2) virus	-/+	Influenza B/Townsville/8/2016 virus	-/+	
SARS-CoV-2 isolate Australia/VIC01/2020	-/+	Influenza A/Victoria/361/2011 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Canberra/11/2016 virus	-/+	
SARS-CoV-2 isolate Wuhan-Hu-1	-/+	Influenza A/Victoria/361/2011 IVR-165 (H3N2) virus	-/+	Influenza B/Florida/4/2006 virus	-/+	
SARS-CoV-2 strain 2019nCoV/USAWA1/2020	-/+	Influenza A/Anhui/01/2005 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Florida/07/2004 virus	-/+	
Enterovirus 68 and 71	-	Influenza A/Anhui/01/2005 x PR8-IDCDC-RG6 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Guangdong/120/2000 virus	-/+	
Enterovirus Echovirus 11 and 30	-	Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Hubei Wujigang/158/2009 (NYMC BX-39) virus	-/+	
Enterovirus Coxsackievirus A24, A9 and B3	-	Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 x PR8-IDCDC-RG12 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/ Jiangsu/10/2003 virus	-/+	
Haemophilus influenzae MinnA	-	Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-03/08 (H5N1) - PR8-IDCDC-RG25a virus	-/+	Influenza B/Massachusetts/2/2012 virus	-/+	
Influenza A/Brisbane/02/2018, IVR-190 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/chicken/Yunnan/1251/2003 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Netherlands/365/2016 (clade 3) virus	-/+	
Influenza A/California/7/2009(H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/common magpie/Hong Kong/645/2006 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Phuket/3073/2013 virus	-/+	
Influenza A/Dominican Republic/7293/2013 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/duck/Hunan/795/2002 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Texas/06/2011 virus	-/+	
Influenza A/Massachusetts/15/2013 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/Egypt/321/2007 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Wisconsin/1/2010 virus	-/+	
Influenza A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/Egypt/321/2007 x PR8-IDCDC-RG11 (H5N1) virus	-/+	Influenza B/Wisconsin/1/2010 BX-41A virus	-/+	
Influenza A/Netherlands/1250/2016 (H1N1)pdm09 virus (clade 6B.1)	-/+	Influenza A/Egypt/3300-NAMRU3/2008 x PR8-IDCDC-RG13 (H5N1) virus	-/+	<i>Legionella bozemani</i>	-	
Influenza A/New Caledonia/20/99(H1N1) virus	-/+	Influenza A/Egypt/N03072/2010 (H5N1) x PR8-IDCDC-RG29 virus	-/+	<i>Legionella dumoffii</i>	-	
Influenza A/New York/18/2009 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/Hong Kong/213/2003 (H5N1) virus	-/+	<i>Legionella longbeachae</i>	-	



Cross-reactivity testing						
Influenza A/Singapore/GP1908/2015, IVR-180 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/Hubei/1/2010 (H5N1) x PR8-IDCDCRG30 virus	-/+	<i>Legionella micdadei</i>	-	
Influenza A/Sydney/134/2018 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/India/NIV/2006 xPR8-IBCDC-RG7 (H5N1) virus	-/+	<i>Legionella pneumophila</i>	-	
Influenza A/Victoria/2040/2018 (H1N1)pdm09 virus	-/+	Influenza A/Japanese white eye/Hong Kong/1038/2006 (H5N1) virus	-/+	Human metapneumovirus A and B	-	
Influenza A/PR/8/34 (H1N1) virus	-/+	Influenza A/Vietnam/1194/2004 (H5N1) virus	-/+	<i>Moraxella catarrhalis</i>	-	
Influenza A/Brisbane/117/2018 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Vietnam/1194/2004 (NIBRG-14) (H5N1) virus	-/+	<i>Mycoplasma pneumoniae</i>	-	
Influenza A/Brisbane/1028/2017 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Vietnam/1203/2004 x PR8-IBCDC-RG (H5N1) virus	-/+	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> not rifampin resistant	-	
Influenza A/Fujian/411/2002 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Whooper Swan/R65/2006 (H5N1) virus	-/+	Human parainfluenza 1, 2, 3 and 4 viruses	-	
Influenza A/Hiroshima//52/2005 (IVR-142) (H3N2) virus	-/+	Influenza A/pheasant/New Jersey/1355/1998 (H5N2)-PR8-IBCDC-4 virus	-/+	<i>Pneumocystis jirovecii</i> Type A1 and g885652	-	
Influenza A/Hong Kong/4801/2014 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Duck/Singapore-Q/F119-3/97 (H5N3) virus	-/+	Human rhinovirus type C	-	
Influenza A/Hong Kong/4801/2014, NYMC X-263B (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Duck/Lao/XBY004/2014 (H5N6) (Clade 2.3.4.4) virus	-/+	<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i>	-	
Influenza A/Indiana/8/2011 (H3N2)v virus	-/+	Influenza A/DE-SH/Reiherente/AR8444/2013 (H5N8) virus	-/+	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	-	
Influenza A/Indiana/10/2011 (H3N2)v virus	-/+	Influenza A/Turkey/Germany/R2485-86/2014 (H5N8) virus	-/+	<i>Streptococcus pneumoniae</i> Z022	-	
Influenza A/Kansas/14/2017 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/turkey/Virginia/2002 x PR8-IBCDC-5 (H7N2) virus	-/+	<i>Streptococcus pyogenes</i>	-	
Influenza A/Kansas/14/2017, NYMC X-327 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Mallard/Netherlands/2/2009 (H7N7) virus	-/+	<i>Streptococcus salivarius</i>	-	
Influenza A/Kumamoto/102/2002 (H3N2) virus	-/+	Influenza A/Mallard/Netherlands/12/2000 (H7N7) - IBCDC-1 virus	-/+	Respiratory syncytial virus (RSV) A and B (strain CH93(18)-18)	-/+	
Influenza A/Minnesota/11/2010 (H3N2)v virus	-/+	Influenza A/Anhui/1/2013 (H7N9) virus	-/+	Human Respiratory Syncytial Virus strain Long	-/+	
Influenza A/Minnesota/11/2010 X203 (H3N2)v virus	-/+	Influenza A/Guangdong/17SF003/2016 (H7N9) virus	-/+			

Table 14. Reference pathogenic microorganisms used in this study.

12.4. Analytical reactivity

The reactivity of the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System for **SARS-CoV-2** was evaluated against RNA from Human 2019-nCoV strain BetaCoV/Germany/BavPat1/2020 p.1, Human 2019-nCoV strain 2019-nCoV/Italy-INMI1, SARS-CoV-2 strain 2019nCoV/USA-WA1/2020, synthetic RNA



controls for two variants of the SARS-CoV-2 virus: MT007544.1 (SARS-CoV2 isolate Australia/VIC01/2020) and MN908947.3 (SARS-CoV-2 isolate Wuhan-Hu-1), showing positive result.

The reactivity of the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System for **Influenza A** was evaluated against RNA extracted from the following strains: Influenza A/Brisbane/02/2018, IVR-190 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/California/7/2009(H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Dominican Republic/7293/2013 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Massachusetts/15/2013 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Netherlands/1250/2016 (H1N1)pdm09 virus (clade 6B.1), Influenza A/New Caledonia/20/99(H1N1) virus, Influenza A/New York/18/2009 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Singapore/GP1908/2015 virus, IVR-180 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Sydney/134/2018 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/Victoria/2040/2018 (H1N1)pdm09 virus, Influenza A/PR/8/34 (H1N1) virus, Influenza A/Brisbane/117/2018 (H3N2) virus, Influenza A/Brisbane/1028/2017 (H3N2) virus, Influenza A/Fujian/411/2002 (H3N2) virus, Influenza A/Hiroshima//52/2005 (IVR-142) (H3N2) virus, Influenza A/Hong Kong/4801/2014 (H3N2) virus, Influenza A/Hong Kong/4801/2014 NYMC X-263B (H3N2) virus, Influenza A/Indiana/8/2011 (H3N2)v virus, Influenza A/Indiana/10/2011 (H3N2)v virus, Influenza A/Kansas/14/2017 (H3N2) virus, Influenza A/Kansas/14/2017, NYMC X-327 (H3N2) virus, Influenza A/Kumamoto/102/2002 (H3N2) virus, Influenza A/Minnesota/11/2010 (H3N2)v virus, Influenza A/Minnesota/11/2010 X203 (H3N2)v virus, Influenza A/Netherlands/398/2014 (H3N2) virus (clade 3C.3a), Influenza A/Netherlands/2393/2015 (H3N2) virus (clade 3C.2a), Influenza A/Newcastle/607/2019 (H3N2) virus, Influenza A/New York/39/2012 (H3N2) virus, Influenza A/Ohio/2/2012 (H3N2) virus, Influenza A/Perth/1001/2018 (H3N2) virus, Influenza A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (H3N2) virus, Influenza A/South Australia/55/2014 (H3N2) virus, Influenza A/South Australia/55/2014, IVR-175 (H3N2) virus, Influenza A/Switzerland/9715293/2013 (H3N2) virus, Influenza A/Texas/50/2012 (H3N2) virus, Influenza A/Thüringen/5/2017 (H3N2) virus (Clade 3C2a.1), Influenza A/Uruguay/716/2007 (H3N2)(NYMC X-175C) virus, Influenza A/Victoria/210/2009(H3N2) virus, Influenza A/Victoria/361/2011 (H3N2) virus, Influenza A/Victoria/361/2011 IVR-165 (H3N2) virus, Influenza A/Anhui/01/2005 (H5N1) virus, Influenza A/Anhui/01/2005 x PR8-IBCDC-RG6 (H5N1) virus, Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 (H5N1) virus, Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 x PR8-IDCDC-RG12 (H5N1) virus, Influenza A/chicken/Vietnam/NCVD-03/08 (H5N1) - PR8-IDCDC-RG25a virus, Influenza A/chicken/Yunnan/1251/2003 (H5N1) virus, Influenza A/common magpie/Hong Kong/645/2006 (H5N1) virus, Influenza A/duck/Hunan/795/2002 (H5N1) virus, Influenza A/Egypt/321/2007 (H5N1) virus, Influenza A/Egypt/321/2007 x PR8-IDCDC-RG11 (H5N1) virus, Influenza A/Egypt/3300-NAMRU3/2008 x PR8-IDCDC-RG13 (H5N1) virus, Influenza A/Egypt/N03072/2010 (H5N1) x PR8-IDCDC-RG29 virus, Influenza A/Hong Kong/213/2003 (H5N1) virus, Influenza A/Hubei/1/2010 (H5N1) x PR8-IDCDCRG30 virus, Influenza A/India/NIV/2006 xPR8-IBCDC-RG7 (H5N1) virus, Influenza A/Japanese white eye/Hong Kong/1038/2006 (H5N1) virus, Influenza A/Vietnam/1194/2004 (H5N1) virus, Influenza A/Vietnam/1194/2004 (NIBRG-14) (H5N1) virus, Influenza A/Vietnam/1203/2004 x PR8-IBCDC-RG (H5N1) virus, Influenza A/Whooper Swan/R65/2006 (H5N1) virus, Influenza A/pheasant/New Jersey/1355/1998 (H5N2)-PR8-IBCDC-4 virus, Influenza A/Duck/Singapore-Q/F119-3/97 (H5N3) virus, Influenza A/Duck/Lao/XBY004/2014 (H5N6) virus (Clade 2.3.4.4), Influenza A/DE-SH/Reiherente/AR8444/2016 (H5N8) virus, Influenza A/Turkey/Germany/R2485-86/2014 (H5N8) virus, Influenza A/turkey/Virginia/2002 x PR8-IBCDC-5 (H7N2) virus, Influenza A/Mallard/Netherlands/2/2009 (H7N7) virus, Influenza A/Mallard/Netherlands/12/2000 (H7N7) - IBCDC-1 virus, Influenza A/Anhui/1/2013 (H7N9) virus, Influenza A/Guangdong/17SF003/2016 (H7N9) virus, Influenza A/Chicken/Hong Kong/G9/1997 x PR8-IBCDC-2 (H9N2) virus, Influenza A/Chicken/Myanmar/433/2016 (H9N2) virus, Influenza A/Hong Kong/1073/99 (H9N2) virus, Influenza A/Hong Kong/33982/2009 (H9N2) x PR8-IDCDC-RG26 virus, showing positive result.



The reactivity of the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System for **Influenza B** was evaluated against RNA extracted from the following strains: Influenza B/Brisbane/60/2008 virus, Influenza B/Colorado/6/2017 virus, Influenza B/Malaysia/2506/2004 virus, Influenza B/Maryland/15/2016 virus, Influenza B/Netherlands/207/06 virus, Influenza B/Netherlands/2518/2016 (clade 1A) virus, Influenza B/Nevada/3/2011 virus, Influenza B/New Jersey/1/2012 virus, Influenza B/Texas/02/2013 virus, Influenza B/Townsville/8/2016 virus (**B/Victoria lineage**); Influenza B/Canberra/11/2016 virus, Influenza B/Florida/4/2006 virus, Influenza B/Florida/07/2004 virus, Influenza B/Guangdong/120/2000 virus, Influenza B/Hubei Wujiagang/158/2009 (NYMC BX-39) virus, Influenza B/Jiangsu/10/2003 virus, Influenza B/Massachusetts/2/2012 virus, Influenza B/Netherlands/365/2016 (clade 3) virus, Influenza B/Phuket/3073/2013 virus, Influenza B/Texas/06/2011 virus, Influenza B/Wisconsin/1/2010 virus, Influenza B/Wisconsin/1/2010 BX-41A virus (**B/Yamagata lineage**), showing positive result.

The reactivity of the VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System for **RSV** was confirmed against RNA extracted from RSV A and B (strain CH93(18)-18) and Human Respiratory Syncytial Virus strain Long, showing positive result.



SVENSKA

1. Avsedd användning

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System är ett automatiserat realtids-RT-PCR-test utformat för kvalitativ detektion och differentiering av RNA från SARS-CoV-2, influensa A (Flu A), influensa B (Flu B) och/eller humant respiratoriskt syncytialvirus A/B (RSV) i luftvägsprover från individer som enligt sjukvårdspersonal misstänks ha COVID-19 eller någon annan luftvägsinfektion. Detta test är avsett att användas som ett hjälpmedel vid identifiering av förekomst av SARS-CoV-2-, Flu A-, Flu B- och/eller RSA-virus-RNA. Analysen använder BD MAX™-systemet för automatiserad extraktion av RNA och efterföljande realtids-RT-PCR som använder medföljande reagenser kombinerade med universella reagenser och engångsartiklar för BD MAX™-systemet. RNA extraheras från luftvägsprover, amplifieras med användning av RT-PCR och detekteras med fluorescerande rapportörfärgprober som är specifika för SARS-CoV-2, Flu A, Flu B och/eller RSV.

2. Sammanfattning och förklaring

Coronavirus är höljeförsedda och icke-segmenterade positiv sense-RNA-virus och tillhör familjen Coronaviridae. Det finns sex arter av coronavirus som är kända för att orsaka sjukdomar hos människa. Fyra virus (229E, OC43, NL63 och HKU1) orsakar vanliga förkylningssymtom och de andra två (svårt akut respiratoriskt syndrom (SARS-CoV)-coronavirus och respiratoriskt syndrom från Mellanöstern (MERS-CoV)-coronavirus) är zoonotiska och ger svårare komplikationer. SARS-CoV och MERS-CoV har orsakat fler än 10 000 kumulativa fall under de senaste två årtiondena med mortalitetsfrekvenser på 34 % för MERS-CoV och 10 % för SARS-CoV.

I december 2019 fick vissa personer som arbetade på eller bodde i närheten av Huanans skaldjursmarknad i Wuhan, Hubei-provinsen i Kina, lunginflammation av okänd orsak. Djupsekvensanalys av luftvägsprover påvisade ett nytt coronavirus som först fick namnet nytt 2019-coronavirus (2019-nCoV) och senare SARS-CoV-2.

Överföring mellan människor av SARS-CoV-2 har bekräftats, även under inkubationstiden utan symtom, och viruset orsakar svår respiratorisk sjukdom precis som SARS-CoV. Även om lunginflammationen är den huvudsakliga associerade sjukdomen har ett fåtal patienter utvecklat svår lunginflammation, lungödem, akut respiratoriskt stresssyndrom eller flerorgansvikt och dödsfall. Den amerikanska myndigheten Centers of Disease Control and Prevention (CDC) tror att symtom på SARS-CoV-2 kan visa sig på så kort tid som 2 dagar eller så lång tid som 14 dagar efter exponering. Vanligaste symtom är feber eller frossa, hosta, trötthet, anorexi, myalgi och dyspné. Mindre vanliga symtom är halsont, nästäppa, huvudvärk, diarré, illamående och kräkningar. Förlust av luktsinne (anosmi) eller smaksinne (ageusi) efter debut av symtom i luftvägarna har också rapporterats. Äldre vuxna och personer med allvarlig underliggande sjukdom, t.ex. hjärt- eller lungsjukdom eller diabetes, verkar löpa större risk för att utveckla allvarligare komplikationer av COVID-19.

CDC rekommenderar prover från övre luftvägarna (nasofaryngeala (NP) och orofaryngeala (OP) svabbprover, svabbprover från mellersta näsmusslan, nasala svabbprover, prover med nasofaryngealt eller nasalt aspirat/sköljvätska (NW) som huvudsakligen tas av sjukvårdspersonal) och/eller prover från nedre luftvägarna (sputum, endotrakealt aspirat eller bronkoalveolär sköljvätska hos patienter med allvarligare luftvägssjukdom) för identifieringen av SARS-CoV-2 och andra luftvägsvirus, t.ex. influensa och RSV.



Influensavirus tillhör familjen Orthomyxoviridae och orsakar de flesta virusinfektioner i de nedre luftvägarna. Influensa A och B är en signifikant orsak till morbiditet och mortalitet över hela världen med tanke på att äldre och kompromitterade individer särskilt löper risk för att utveckla svår sjukdom och komplikationer, t.ex. lunginflammation. Personer upplever vissa eller samtliga av dessa symtom: feber eller feberkänsla/frossa, hosta, halsont, nästäppa, rinnande näsa, myalgi, huvudvärk och minskad aptit. Influensavirus kan spridas från person till person på två olika sätt: via luften (stora droppar och aerosoler från nysningar och hosta) och via direkt eller indirekt kontakt.

Influensa A och B är höljeförsedda och enkelsträngade RNA-virus som innehåller åtta segmenterade strängar av genom-RNA vilka vanligtvis kodar för 11 eller 12 virusproteiner. Virushöljet, som kommer från värdens plasmamembran, består av ett dubbelt lipidlager innehållande transmembranproteiner, t.ex. hemagglutinin (HA), neuraminidas (NA) samt matrisproteiner M1 och M2. Influensa A-virus klassificeras vidare i undertyper baserat på antigeniciteten för "HA"- och "NA"-molekylerna, medan influensa B delas in i två antigenmässigt och genetiskt distinkta varianter, Victoria och Yamagata.

Humant respiratoriskt syncytialvirus A och B (RSV) tillhör familjen Paramyxoviridae och är de viktigaste orsakerna till akuta luftvägsinfektioner. RSV är ett höljeförsett, icke-segmenterat, negativt enkelsträngat och linjärt RNA-genomvirus. Respiratoriskt syncytialvirus är en vanlig orsak till luftvägsinfektioner som orsakar bronkit, lunginflammation och kroniskt obstruktiva lunginfektioner hos personer i alla åldrar. Personer upplever ofta vissa eller samtliga av dessa symtom: rinnande näsa, låggradig feber, hosta, halsont, huvudvärk och väsande andning. RSV överförs via stora nasofaryngeala sekretdroppar från infekterade individer, nära kontakt eller självinokulering efter vidröring av kontaminerade ytor.

En diagnos kan vara problematisk eftersom flera olika patogener kan orsaka akuta luftvägsinfektioner med liknande kliniska symtom. Realtids-PCR-analyser har visat sig vara känsliga och specifika diagnostiska verktyg för detektionen av SARS-CoV-2-, Flu A-, Flu B- och RSV-virus.

3. Procedurprincip

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System är utformat för identifiering av SARS-CoV-2, Flu A, Flu B och/eller RSV i luftvägsprover. Detektionen utförs med realtid-RT-PCR i ett steg där omvänt transkription och efterföljande amplifiering av specifik målsekvens inträffar i samma reaktionsrör. Den isolerade RNA-målsekvensen transkriberas och ger komplementärt DNA genom omvänt transkriptas som följs av amplifieringen av två bevarade regioner i N-genen (N1 och N2) för SARS-CoV-2, en bevarad region i M1-genen för Flu A och Flu B samt en bevarad region i N-genen för RSV med användning av specifika primrar och fluorescensmärkta prober.

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System baseras på 5'-exonukleasaktivitet av DNA-polymeras. Under DNA-amplifiering klyver detta enzym prober som är bunden till den komplementära DNA-sekvensen vilket separerar quencher-färgen (släckare) från rapportören. Denna reaktion genererar en ökning av fluorescenssignalen som är proportionell mot mängden av målmall. Denna fluorescens mäts på BD MAX™-systemet.



VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System utgörs av två olika reaktionsrör. Ett av rören detekterar och differentierar RNA från Flu A, Flu B och/eller RSV (genomskinligt rött eller 1A-folie) och det andra röret detekterar specifikt RNA från SARS-CoV-2 (genomskinligt grönt eller 1G-folie). Varje rör innehåller alla komponenter som är nödvändiga för realtids-PCR-analys (specifika primrar/prober, dNTP, buffert, polymeras och omvänt transkriptas) i en stabiliserad form samt en intern kontroll (endogent i SARS-CoV-2 reaction tube) för att övervaka extraktionsprocessen och/eller inhiberingen av polymerasaktivitet. SARS-CoV-2-analysen använder en hushållningsgen från människa som en endogen intern kontroll (human RNase P-gen). Hushållningsgener från människa är involverade i grundläggande cellfunktioner och förväntas därför förekomma i alla kärnförsedda humanceller och bibehålls på relativt konstanta uttrycksnivåer. Varje RNA-målsekvens amplifieras och detekteras i specifika kanaler (475/520, 585/630 och/eller 630/665) och den interna kontrollen (IC) i kanal 530/565. I Flu A-, Flu B- och/eller RSV-analys amplifieras och detekteras Flu A RNA-målsekvens i kanal 475/520, influensa B RNA-målsekvens i kanal 585/630, RSV RNA-målsekvens i kanal 630/665 och den interna kontrollen (IC) för denna analys i kanal 530/565. I SARS-CoV-2-analysen amplifieras och detekteras N2-målsekvensen i kanal 475/520, N1-målsekvensen i kanal 630/665 och den endogena interna kontrollen (IC) i kanal 530/565.

4. Medföljande reagenser

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System omfattar följande material och reagenser som anges i tabell 1:

Referens	Reagens/material	Beskrivning	Färg/streckkod	Mängd
VS-ABR212R	Flu A, Flu B & RSV reaction tube	En blandning av enzymer, primrar, prober, buffert, dNTP, stabiliseraende medel och intern kontroll i stabiliserad form	Genomskinlig Röd eller 1A-folie	2 påsar med 12 rör
VS-NCO312	SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube	En blandning av enzymer, primrar, prober, buffert, dNTP, stabiliseraende medel och endogen intern kontroll i stabiliserad form	Genomskinlig Grön eller 1G-folie	2 påsar med 12 rör
VS-RB09	Rehydration Buffer tube	Lösning för att bereda den stabiliseraerde produkten	Genomskinlig Orange eller 11-folie	1 påse med 24 rör

Tabell 1. Reagens och material som medföljer VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System med kat. nr VS-FNR124 (444217).

5. Reagenser och utrustning som ska tillhandahållas av användaren

Följande lista omfattar material och utrustning som krävs för användning men som inte medföljer VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System.

- Realtids-PCR-instrument: BD MAX™ System.
- BD MAX™ ExK™ TNA-3 (Ref:442827 eller 442828)
- BD MAX™ PCR Cartridges (Ref: 437519)
- Vortexblandare.
- Mikropipetter (noggrannhet mellan 2 och 1 000 µl).



- Filterspetsar.
- Puderfria engångshandskar.

6. Transport- och förvaringsförhållanden

- Satserna kan transporteras och förvaras vid 2–40 °C fram till utgångsdatumet som anges på etiketten.
- Efter öppnande kan aluminiumpåsarna som innehåller reaktionsrören användas i upp till 28 dagar.

7. Försiktighetsåtgärder

- Produkten är avsedd att endast användas av yrkesmässiga användare som t.ex. laboratoriepersonal, sjukvårdspersonal och tekniker som har utbildning i molekylärbiologiska tekniker.
- För *in vitro*-diagnostik.
- Använd inte utgångna reagenser och/eller utgånget material.
- Använd inte satsen om etiketten som förseglar den yttre lådan är bruten.
- Använd inte reagenser om den skyddande lådan är öppen eller förseglingen är bruten vid ankomst.
- Använd inte reagenser om de skyddande påsarna är öppna eller förseglingen är bruten vid ankomst.
- Använd inte reagenser om torkmedel inte finns eller inte har fungerat i reagenspåsarna.
- Ta inte ut torkmedel från reagenspåsarna.
- Stäng reagensernas skyddande påsar med blixtlåsförseglingen direkt efter varje användning. Avlägsna eventuell luft i påsarna före förseglings.
- Använd inte reagenser om folien är bruten eller skadad.
- Blanda inte reagenser från olika påsar och/eller satser och/eller partier.
- Skydda reagenser från fukt. Längre tids exponering för fukt kan påverka produktprestanda.
- Förvara komponenter borta från ljus.
- I fall då andra PCR-tester utförs i samma allmänna område av laboratoriet måste varsamhet iakttas för att säkerställa att VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System, BD MAX™ ExK™ TNA-3 extraction kit, ytterligare reagenser som krävs för testning och BD MAX™-systemet inte är kontaminerade. Undvik alltid kontamination av reagenser från mikroorganismer och ribonukleas (RNAs)/deoxyribonukleas (DNAs). Användning av sterila, RNAs/DNAs-fria och aerosolresistenta pipettspetsar eller pipettspetsar av typen positiv förskjutning ("positive displacement"). Använd en ny spets för varje prov. Skyddshandskar måste bytas före hantering av reagenser och kassetter.
- Se till att använda ett rör för att bestämma RNA från influensa A, influensa B och RSV i rör 2 för att knäppas fast (grön position) och ett annat rör för att bestämma RNA från SARS-CoV-2 i rör 4 för att knäppas fast (blå position). Se till att inte blanda ihop dem under hela processen.
- Bryt inte itu BD MAX™ PCR Cartridge efter användning för att undvika kontamination av miljön från amplifikoner. Tätningarna på BD MAX™ PCR Cartridge är utformade för att förhindra kontamination.
- Utforma ett enkelriktat arbetsflöde. Det bör börja i extraktionsområdet och sedan flytta till amplifierings- och detektionsområdet. Flytta inte prover, utrustning och reagenser tillbaka till området där det föregående steget utfördes.
- Följ god laboratoriesed. Bär skyddskläder, använd engångshandskar, skyddsglasögon och mask. Ät inte, drick inte eller rök inte i arbetsområdet. Tvätta händerna efter att testet har slutförts.



- Prover måste behandlas som potentiellt smittsamma precis som alla reagenser och material som har exponerats för proverna och de måste hanteras enligt nationella säkerhetsbestämmelser. Vidta nödvändiga försiktighetsåtgärder vid insamling, förvaring, behandling och kassering av prover.
- Regelbunden dekontaminering av vanligt använd utrustning rekommenderas, särskilt mikropipetter och arbetsytor.
- Se användarhandboken för BD MAX™-systemet för ytterligare varningar, försiktighetsåtgärder och procedurer.

8. Förfarande

8.1. INSAMLING, FÖRVARING OCH TRANSPORT AV PROVER

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System har validerats med nasofaryngealt/orofaryngealt prov insamlat i virustransportmedium (VTM) Vircell S.L., Spanien.

Andra typer av nasofaryngeala/orofaryngeala prover i VTM måste valideras av användaren.

Insamling, förvaring och transport av prover ska ske enligt villkoren som validerats av användaren. I allmänhet ska luftvägsprover samlas in och märkas på lämpligt sätt i rena behållare med eller utan transportmedia (beroende på provtyp) och bearbetas så snart som möjligt för att garantera testets kvalitet. Proverna får transporteras vid 2 till 8 °C i upp till 48 timmar enligt lokala och nationella bestämmelser för transporten av patogent material. För långvarig transport (mer än 48 timmar) rekommenderar vi transport vid ≤ -20 °C. Det rekommenderas att använda färsk prover för testet. Proverna kan förvaras vid 2 till 8 °C i upp till 48 timmar eller frysta vid -20 °C eller helst vid -70 °C för bevarande. Upprepade nedfrysningar och upptiningar bör undvikas för att förhindra nedbrytning av provet och nukleinsyrorna.

8.2. PROVBEREDNING OCH RNA-EXTRAKTION

Utför provberedning enligt rekommendationerna i bruksanvisningen för extraktionssatsen som används, BD MAX™ ExK™ TNA-3. Observera att vissa andra prover kan kräva förbearbetning. Tillämpningsspecifika procedurer för extraktionsförberedelse ska utvecklas och valideras av användaren.

1. Pipettera 400 µl nasofaryngealt/orofaryngealt prov taget i virustransportmedia (VTM) i ett BD MAX™ TNA-3 Sample Buffer Tube och stäng röret med ett membranlock. Säkerställ fullständig blandning genom att vortexa provet vid hög hastighet i en minut. Fortsätt till drift av BD MAX™-systemet.

Obs! Flu A, Flu B & RSV reaction tube har validerats med en provvolym på 200–400 µl och SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube med en provvolym på 400–750 µl.

8.3. PCR-PROTOKOLL

Obs! Se användarhandboken för BD MAX™-systemet för detaljerade anvisningar.



8.3.1. Skapa PCR-testprogram för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System

Obs! Om du redan har skapat testet VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection kan du hoppa över steg 8.3.1 och gå direkt till 8.3.2.

- 1) Välj fliken "Test Editor" (Testredigerare) på BD MAX™-systemets skärm "Run" (Kör).
- 2) Klicka på knappen "Create" (Skapa).
- 3) Döp testet, dvs. VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV (VSARSCoV2, FluA+B,RSV) i fönstret "Test Name" (Testnamn) på fliken för grundläggande information.
- 4) Välj "ExK TNA-3" i listrutan "Extraction Type" (Extraktionstyp).
- 5) Välj "Dual Master Mix Concentrated Lyophilized MM with Rehydration Buffer (Type 5)" (Dubbelmasterblandning koncentrerad frystorkad MM med Rehydration Buffer (typ 5)) i listrutan "Master Mix Format" (Masterblandningsformat).
- 6) Välj "User defined" (Användardefinierad) i "Sample extraction parameters" (Provextraktionsparametrar) och justera provvolymen till 950 µl.
- 7) Välj "Call Ct at Threshold Crossing" (Hämta Ct vid tröskelvärdesgräns) i "Ct Calculation" (Ct-beräkning).
- 8) Välj följande konfiguration i "Custom Barcodes" (Anpassa streckkoder) om du kör programvara version 5.00 eller senare och använder streckkodade och folieförsedda rör som ska knäppas fast:
 - a. Snap-In 2 Barcode: 1A (gällande Flu A, Flu B & RSV reaction tube)
 - b. Snap-In 3 Barcode: 11 (gällande Rehydration Buffer tube)
 - c. Snap-In 4 Barcode: 1G (gällande SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube)
- 9) "PCR Settings" (PCR-inställningar) och "Test Steps" (Teststeg) måste slutföras för Snap-In 2 (grönt) och Snap-In 4 (blått).
- 10) Snap-In 2 (grönt). Ange följande parametrar på fliken "PCR settings" (PCR-inställningar): "Channel Settings" (Kanalinställningar), "Gains" (Förstärkningar) och "Threshold" (Tröskelvärde) (tabell 2).

Channel (Kanal)	Alias (Alias)	Gain (Förstärkning)	Threshold (Tröskelvärde)	Ct Min (Ct min)	Ct Max (Ct max)
475/520 (FAM)	Flu A	60	100	0	40
530/565 (HEX)	IC	80	300	0	40
585/630 (ROX)	Flu B	60	200	0	40
630/665 (Cy5)	RSV	60	150	0	40
680/715 (Cy5.5)	-	0	0	0	0

Tabell 2. PCR-inställningar.

Obs! Det rekommenderas att ställa in minimitröskelvärdena som anges ovan för varje kanal som en startpunkt men de slutliga inställningarna måste fastställas av slutanvändaren under resultat tolkningen för att säkerställa att tröskelvärdena faller inom fluorescenskurvornas exponentiella fas och över eventuell bakgrundssignal. Tröskelvärdet för olika instrument kan variera på grund av olika signalintensiteter.



- 11) Snap-In 2 (grönt). Ange även följande parametrar "Spectral Cross Talk" (Spektral överhörning) på fliken "PCR settings" (PCR-inställningar) (tabell 3).

		False Receiving Channel (Falsk mottagarkanal)					
		Channel (Kanal)	475/520	530/565	585/630	630/665	680/715
Excitation Channel (Excitationskanal)	475/520	–	0,0	0,0	0,0	0,0	
	530/565	0,0	–	2,0	0,0	0,0	
	585/630	0,0	0,0	–	0,0	0,0	
	630/665	0,0	0,0	4,0	–	0,0	
	680/715	0,0	0,0	0,0	0,0	–	

Tabell 3. Parametrar för spektral överhörning.

- 12) Snap-In 2 (grönt). Ange PCR-protokollet på fliken "Test Steps" (Teststeg) (tabell 4).

Step Name (Stegnamn)	Profile Type (Profiltyp)	Cycles (Cykler)	Time (s) (Tid (s))	Temperature (Temperatur)	Detect (Detektion)
Reverse transcription (Omvänd transkription)	Uppehåll	1	900	45 °C	-
Initial denaturation (Inledande denaturering)	Uppehåll	1	120	98 °C	-
Denaturation and Annealing/Extension (Data collection) (Denaturering och hybridisering/förlängning (Datainsamling))	2-temperatur	45	10	95 °C	-
			61,1	63 °C	✓

Tabell 4. PCR-protokoll.

- 13) Snap-In 4 (blått). Ange följande parametrar på fliken "PCR settings" (PCR-inställningar): "Channel Settings" (Kanalinställningar), "Gains" (Förstärkningar) och "Threshold" (Tröskelvärde) (tabell 5).

Channel (Kanal)	Alias (Alias)	Gain (Förstärkning)	Threshold (Tröskelvärde)	Ct Min (Ct min)	Ct Max (Ct max)
475/520 (FAM)	SARS-CoV-2 N2-mål	80	150	0	40
530/565 (HEX)	Endogen IC	80	150	0	35
585/630 (ROX)	–	0	0	0	0
630/665 (Cy5)	SARS-CoV-2 N1-mål	80	150	0	40
680/715 (Cy5.5)	–	0	0	0	0

Tabell 5. PCR-inställningar.

Obs! Det rekommenderas att ställa in minimitröskelvärdena som anges ovan för varje kanal som en startpunkt men de slutliga inställningarna måste fastställas av slutanvändaren under resultat tolkningen för att säkerställa att tröskelvärdena faller inom fluorescenskurvornas exponentiella fas och över eventuell bakgrundssignal. Tröskelvärdet för olika instrument kan variera på grund av olika signalintensiteter.

- 14) Snap-In 4 (blått). Ange även följande parametrar "Spectral Cross Talk" (Spektral överhörning) på fliken "PCR settings" (PCR-inställningar) (tabell 6).



		False Receiving Channel (Falsk mottagarkanal)				
Channel (Kanal)		475/520	530/565	585/630	630/665	680/715
Excitation Channel (Excitationskanal)	475/520	–	3,0	0,0	0,0	0,0
	530/565	1,0	–	0,0	0,0	0,0
	585/630	0,0	0,0	–	0,0	0,0
	630/665	0,0	0,0	0,0	–	0,0
	680/715	0,0	0,0	0,0	0,0	–

Tabell 6. Parametrar för spektral överhörning.

- 15) Snap-In 4 (blått). Ange PCR-protokollet på fliken "Test Steps" (Teststeg) (tabell 7).

Step Name (Stegnamn)	Profile Type (Profiltyp)	Cycles (Cykler)	Time (s) (Tid (s))	Temperature (Temperatur)	Detect (Detektion)
Reverse transcription (Omvänd transkription)	Uppehåll	1	900	45 °C	-
Initial denaturation (Inledande denaturering)	Uppehåll	1	120	98 °C	-
Denaturation and Annealing/Extension (Data collection) (Denaturering och hybridisering/förlängning (Datainsamling))	2-temperatur	45	10	95 °C	-
			61,1	63 °C	✓

Tabell 7. PCR-protokoll.

- 16) Klicka på knappen "Save Test" (Spara test).

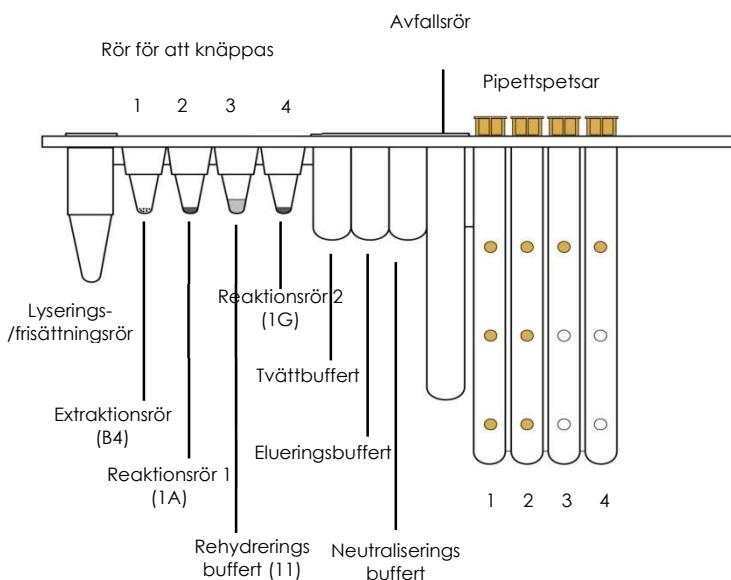
8.3.2. Installation av BD MAX™-ställ

- För varje prov som ska testas ska du ta ut en sammansatt reagensremsa från BD MAX™ ExK TNA-3-satsen. Knacka försiktigt varje remsa mot en hård yta för att säkerställa att alla vätskor finns på rörens botten och ladda den på BD MAX™-systemets provrörsställ.
- Ta ut nödvändigt antal BD MAX™ ExK™ TNA Extraction Tubes (B4) (vit folie) från den skyddande påsen. Knäpp fast extraktionsrören (vit folie) på motsvarande positioner på TNA-remsan (rörposition 1, vit färgkodning på stället, se figur 1). Avlägsna överskott av luft och stäng påsen med blixtlåsförseglingen.
- Bestäm och separera lämpligt antal Flu A, Flu B & RSV reaction tube (rött eller 1A-folie) och knäpp fast dem på motsvarande positioner på remsan (rörposition 2, grön färgkodning på stället, se figur 1).
 - Avlägsna överskott av luft och stäng aluminiumpåsarna med blixtlåsförseglingen.
 - Utför en korrekt rehydrering genom att se till att den frystorkade produkten finns på rörets botten och att den inte klibbar fast på rörets övre del eller på folieförseglingen. Knacka försiktigt varje rör mot en hård yta för att se till att all produkt hamnar på botten av röret.
- Ta ut lämpligt antal Rehydration Buffer tube (orange eller 11-folie) och knäpp fast rören på motsvarande positioner på remsan (rörposition 3, färglös kodning på stället, se figur 1). Avlägsna överskott av luft och stäng påsen med blixtlåsförseglingen.



- a. Utför en korrekt överföring genom att se till att vätskan finns på rörets botten och att den inte klibbar fast på rörets övre del eller på folieförseglingen. Knacka försiktigt varje rör mot en hård yta för att se till att all produkt hamnar på botten av röret.
- 5) Bestäm och separera lämpligt antal SARS-CoV-2 ($N_1 + N_2$) reaction tube (grönt eller 1G-folie) och knäpp fast dem på motsvarande positioner på remsan (rörposition 4, blå färgkodning på stället, se figur 1).
- a. Avlägsna överskott av luft och stäng aluminiumpåsarna med blixtlåsförseglingen.
 - b. Utför en korrekt rehydrering genom att se till att den frystorkade produkten finns på rörets botten och att den inte klibbar fast på rörets övre del eller på folieförseglingen. Knacka försiktigt varje rör mot en hård yta för att se till att all produkt hamnar på botten av röret.

Figur 1. BD MAX™ TNA-reagensremsa (TNA) från BD MAX™ ExK TNA-3-sats.



8.3.3. Inställning av BD MAX™-instrument

- 1) Välj fliken "Work List" (Arbetslista) på skärmen "Run" (Kör) i BD MAX™-systemets programvara v4.50A eller senare.
- 2) I listrutan "Test" (Test) väljer du VSARSCoV2,FluA+B,RSV (se avsnitt 8.3.1 om det inte redan har skapats).
- 3) Välj lämpligt satslotnummer (finns angivet på den använda extraktionssatsens ytterlåda) från listrutan (valfritt).
- 4) Ange provbuffertrörets identifikationsnummer i fönstret för provrör i arbetslistan, antingen genom att läsa av streckkoden med en streckkodsläsare eller genom manuell inmatning.
- 5) Fyll i fönstret för prov-/patient-ID och/eller accession i arbetslistan och klicka på knappen "Save" (Spara). Fortsätt tills alla provbuffertrör har angivits. Säkerställ att prov-/patient-ID och provbuffertrör noga överensstämmer.
- 6) Placera det förberedda provbuffertröret i BD MAX™-stället.
- 7) Ladda stället/stället i BD MAX™-systemet (ställ A är positionerat på BD MAX™-systemets vänstra sida och ställ B på dess högra sida).
- 8) Placera lämpligt antal BD MAX™ PCR Cartridge i BD MAX™-systemet.
- 9) Stäng BD MAX™-systemets lucka.
- 10) Klicka på "Start Run" (Starta körförlopp) för att påbörja proceduren.



8.3.4 BD MAX™-rapport

- 1) Klicka på knappen "Results" (Resultat) i huvudmenyn.
- 2) Antingen dubbelklicka på din körning i listan eller tryck på "visningsknappen".
- 3) Klicka på "Print" (Skriv ut) och välj: "Run Details, Test Details and Plot..." (Körningsinformation, testinformation och kurva ...).
- 4) Klicka på knappen "Print or Export" (Skriv ut eller exportera) på skärmen "Run Reports" (Körningsrapport).

9. Resultattolkning

Se användarhandboken för BD MAX™-systemet för en detaljerad beskrivning av dataanalys.

Dataanalys utförs av BD MAX™-programvaran enligt tillverkarens anvisningar. BD MAX™-programvaran rapporterar Ct-värden och amplifieringskurvor för varje detektor kanal för varje testat prov på följande sätt:

- Ct-värde på 0 anger att det inte fanns något Ct-värde beräknat av programvaran med det specificerade tröskelvärdet (se tabell 2). Amplifieringskurvan för provet med ett Ct-värde på 0 måste kontrolleras manuellt.
- Ct-värde på -1 anger att ingen amplifiersprocess har inträffat.
- Ett annat Ct-värde ska tolkas i korrelation med amplifieringskurvan och enligt riktlinjerna för provtolkning som finns i tabell 8 och 9.

Kontrollera signalen för den interna kontrollen för att bekräfta korrekt funktion av amplifieringsblandningen. Kontrollera dessutom att det inte föreligger någon rapport om BD MAX™-systemfel.

Resultat bör avläsas och analyseras med hjälp av följande tabeller:

a. Flu A, Flu B & RSV reaction tube: Snap-In 2

Flu A (475/520)	Flu B (585/630)	RSV (630/665)	Intern kontroll (530/565)	Tolkning
+	+	+	+/- ¹	Flu A, Flu B och RSV RNA detekterade¹
+	-	-	+/- ¹	Flu A RNA detekterad, Flu B och RSV RNA inte detekterade¹
+	+	-	+/- ¹	Flu A och Flu B RNA detekterade och RSV RNA inte detekterad¹
+	-	+	+/- ¹	Flu A och RSV RNA detekterade och Flu B RNA inte detekterad¹
-	+	-	+/- ¹	Flu B RNA detekterad, Flu A och RSV RNA inte detekterade¹
-	+	+	+/- ¹	Flu B och RSV RNA detekterade, Flu A RNA inte detekterad¹
-	-	+	+/- ¹	RSV RNA detekterad, Flu A och Flu B RNA inte detekterade¹
-	-	-	+ ²	Flu A, Flu B och RSV RNA inte detekterade²
-	-	-	- ²	Olösta resultat (UNR) erhålls när det förekommer inhibitorer i PCR-reaktionen eller när ett allmänt problem (som inte rapporterats av en felkod) inträffar under bearbetningen av provet och/eller amplifieringen.²
IND	IND	IND	IND	Obestämt analysresultat (IND). Beror på fel i BD MAX™-systemet. Analysresultat som visas vid instrumentfel som är kopplade till en felkod.
INC	INC	INC	INC	Ofullständigt analysresultat (INC). Beror på fel i BD MAX™-systemet. Analysresultat som visas om körningen inte kan slutföras.

Tabell 8. Provtolkning Flu A, Flu B & RSV reaction tube

+: Amplifiering inträffade

-: Ingen amplifiering inträffade



1 Ett prov anses vara positivt om Ct-värdet som erhålls är lägre än 40. Den interna kontrollen kan visa eller visar inte en amplificeringssignal eftersom ett högt kopieantal av målet kan orsaka föredragen amplificering av målspecifika nukleinsyror i stället för den interna kontrollen. I dessa fall är detektion av den interna kontrollen inte nödvändig.

2 Ett prov anses vara negativt om provet inte visar någon amplificeringssignal i detektionssystemet men den interna kontrollen är positiv (Ct-värde lägre än 40). Inhibering av PCR-reaktionen kan uteslutas genom amplificeringen av intern kontroll. Det rekommenderas att upprepa analysen i händelse av olösta resultat (UNR), frånvaro av intern kontrollsignal i negativt prov.

b. SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube: Snap-In 4

SARS-CoV-2 (N2-mål) (475/520)	Endogen intern kontroll (530/565)	SARS-CoV-2 (N1-mål) (630/665)	Tolkning
+	+/- ³	+	SARS-CoV-2 N gene RNA detekterad³
+ ⁴	+/- ³	-	SARS-CoV-2 N gene RNA detekterad^{3,4}
-	+/- ³	+ ⁴	SARS-CoV-2 N gene RNA detekterad^{3,4}
-	+ ⁵	-	SARS-CoV-2 N gene RNA inte detekterad⁵
-	- ⁵	-	Olösta resultat (UNR) erhålls när det förekommer inhibitorer i PCR-reaktionen eller när ett allmänt problem (som inte rapporteras av en felkod) inträffar under bearbetningen av provet och/eller amplificeringen. ⁵
IND	IND	IND	Obestämt analysresultat (IND). Beror på fel i BD MAX™-systemet. Analysresultat som visas vid instrumentfel som är kopplade till en felkod.
INC	INC	INC	Ofullständigt analysresultat (INC). Beror på fel i BD MAX™-systemet. Analysresultat som visas om köringen inte kan slutföras.

Tabell 9. Provtolkning SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube

+: Amplificering inträffade

-: Ingen amplificering inträffade

3 Ett prov anses vara positivt om Ct-värdet som erhålls är lägre än 40. Den endogena interna kontrollen (IC) kan eller kan inte uppvisa en amplificeringssignal. Ibland är IC-detektion inte nödvändig eftersom ett högt antal kopior av målsekvensen kan orsaka föredragen amplificering av målspecifika nukleinsyror.

4 Bekräfta den sigmoidformade formen på kurvan och fluorescensintensiteten om endast ett målställe i N-genen amplificeras. I händelse av en tveksam tolkning beroende på tillgängligt material rekommenderas även att man:

- a) extraherar och testar igen med en annan alikvot av samma prov (öka provvolymen till 750 µl om möjligt) eller
- b) tar ett nytt prov och testar igen.

5 IC måste uppvisa en amplificeringssignal med Ct lägre än 35 om SARS-CoV-2-målställena är negativa. Ct-värdet kan variera i mycket hög grad på grund av att den endogena interna kontrollen är en hushållningsgen från människa som bör förekomma i alla kärnförsedda humanceller i det ursprungliga provet. Om det inte förekommer någon signal eller



om Ct-värdet är ≥ 35 för den endogena interna kontrollen anses resultatet vara "Unresolved" (Olöst) och omtestning krävs.

Det rekommenderas att konsultera bruksanvisningen, granska extraktionsprocessen som används av användaren, bekräfta korrekt prestanda för varje RT-qPCR-steg och granska parametrarna samt kontrollera den sigmoida formen på kurvan och fluorescensintensiteten om ett tvetydigt resultat fortsätter att visas.

Resultat av testet bör utvärderas av sjukvårdspersonal med beaktande av medicinsk anamnes, kliniska symtom och andra diagnostiska tester.

10. Testets begränsningar

- Resultat av testet bör utvärderas av sjukvårdspersonal med beaktande av medicinsk anamnes, kliniska symtom och andra diagnostiska tester.
- Även om denna analys kan användas med andra typer av prover, har den validerats med nasofaryngealt/orofaryngealt prov taget i VTM.
- Den frystorkade produkten ska finnas i botten av röret för god testprestanda och inte häfta fast vid rörets överdel eller folieförseglingen. Knacka försiktigt varje rör mot en hård yta för att se till att all produkt hamnar på botten av röret.
- Testets funktion påverkas inte om reaktionsblandningen i stabiliseringad form, vanligtvis i botten av röret, inte ser ut som vanligt (utan konisk form, icke-homogen, mindre/större i storlek och/eller annan färg än vit).
- Testets kvalitet beror på provets kvalitet. Extraktion av nukleinsyra från luftvägsprover måste ske på lämpligt sätt.
- Detta test är kvalitativt och ger inga kvantitativa värden eller anger antalet organismer som förekommer.
- Extremt låga nivåer av mål under detektionsgränsen kan detekteras men resultaten är kanske inte reproducerbara.
- Det finns en risk för falskt positiva resultat på grund av korskontamination av prover som misstänks innehålla SARS-CoV-2, Flu A, Flu B och/eller RSV med höga koncentrationer av mål-RNA eller kontamination på grund av PCR-produkter från tidigare reaktioner.
- De specifika primer- och probkombinationerna för detektion av bevarade regioner av N-genen (SARS-CoV-2) som används i VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System har utformats baserat på US CDC-analysen för specifik detektion av SARS-CoV-2 genom att amplifiera två unika regioner av N-genen. De uppvisar inga signifikanta kombinerade homologier med humangenom, humanmikroflora, SARS-CoV eller andra coronavirüs som kan resultera i förutsägbara falskt positiva resultat.
- Falskt negativa resultat kan inträffa på grund av flera faktorer och deras kombinationer, inklusive:
 - Olämplig insamling, transport, förvaring och/eller hantering av prover.
 - Olämpliga processförfaranden (inklusive RNA-extraktion).
 - Nedbrytning av virus-RNA under provtransport/-förvaring och/eller bearbetning.
 - Mutationer eller polymorfismar i primer- eller probbindande regioner kan påverka detektion av nya eller okända varianter av SARS-CoV-2, influensa och/eller RSV.
 - En virusbelastning i provet under analysens detektionsgräns.
 - Förekomsten av RT-qPCR-inhibitorer eller andra typer av störande ämnen.
 - Underlättelse att följa bruksanvisningar och analysförfarandet.



- Amplifiering av ett enda målställe eller till och med slumpmässiga positiva resultat i SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube antyder ett något annorlunda amplifiersutbyte för målstället i *N*-genen. Prover med låg virusbelastning kan resultera i amplifiering av ett enda *N*-mål. Det rekommenderas att konsultera ett referenslaboratorium för vidare testning i händelse av tveksamheter.
- Vissa prover (i SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube) uppvisar kanske inte RNase P-amplifierskurvor på grund av lågt humancellantal i det ursprungliga kliniska provet. Ett negativt IC-resultat utesluter inte förekomsten av SARS-CoV-2-, influensa- och/eller RSV-RNA i ett kliniskt prov.
- Ett positivt testresultat anger inte nödvändigtvis förekomsten av livskraftiga virus och antyder inte att dessa virus är smittsamma eller orsakar kliniska symtom. Ett positivt resultat anger dock förekomsten av virusmåsekvenser.
- Negativa resultat utesluter inte infektion av SARS-CoV-2, influensa och/eller RSV och ska inte användas som den enda grunden för beslut om behandling eller annan patienthantering. Optimala provtyper och tid för virustoppnivåer vid infektioner orsakade av SARS-CoV-2 och den nya influensa A-stammen har inte fastställts. Insamling av flera prover (typer och tidpunkter) från samma patient kan bli nödvändig för att detektera viruset.
- Om diagnostiska tester för andra luftvägssjukdomar är negativa och patientens kliniska presentation och epidemiologisk information antyder att infektion av SARS-CoV-2, influensa och/eller RSV är möjlig, ska förekomsten av ett falskt negativt resultat övervägas och en omtestning av patienten bör diskuteras.
- Om resultaten blir olösta, obestämda eller ofullständiga med VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System krävs omtestning. Olösta prover kan vara på grund av förekomsten av inhibitorer i provet eller en inkorrekt rehydrering av röret med frystorkad reaktionsblandning. Om det föreligger ett instrumentfel kommer obestämda eller ofullständiga resultat att erhållas.

11. Kvalitetskontroll

VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System innehåller en intern kontroll i varje Flu A, Flu B & RSV reaction tube och en endogen intern kontroll i varje SARS-CoV-2 (*N1 + N2*) reaction tube som bekräftar korrekt prestanda för tekniken.

12. Prestandaegenskaper

12.1. Klinisk sensitivitet och specificitet

Klinisk prestanda för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System testades enskilt i varje reaktionsrör.

Klinisk prestanda för Flu A, Flu B & RSV reaction tube testades med användning av 344 luftvägsprover (orofaryngeala prover) från symptomatiska patienter. Dessa resultat jämfördes med de som erhölls med molekylär detektionsmetod (cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)).

Resultaten var enligt följande:



	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Totalt
Flu A, Flu B & RSV reaction tube	+	157	2*	159
	-	7*	178	185
	Totalt	164	180	344

Tabell 10. Jämförande resultat för Flu A.

Positiv överensstämmelse i procent är > 96 % och negativ överensstämmelse i procent är > 99 %.

*Den låga mängden av mall-RNA i detta luftvägsprov ligger under detektionsgränsen för den använda metoden.

	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Totalt
Flu A, Flu B & RSV reaction tube	+	99	4*	103
	-	1*	240	241
	Totalt	100	244	344

Tabell 11. Jämförande resultat för Flu B.

Positiv överensstämmelse i procent är > 99 % och negativ överensstämmelse i procent är > 98 %.

*Den låga mängden av mall-RNA i detta luftvägsprov ligger under detektionsgränsen för den använda metoden.

	cobas® Influenza A/B & RSV (Roche)			
		+	-	Totalt
Flu A, Flu B & RSV reaction tube	+	22	4*	26
	-	3*	315	318
	Totalt	25	319	344

Tabell 12. Jämförande resultat för RSV.

Positiv överensstämmelse i procent är > 88 % och negativ överensstämmelse i procent är > 99 %.

*Den låga mängden av mall-RNA i detta luftvägsprov ligger under detektionsgränsen för den använda metoden.

Den kliniska prestandan för SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube testades med användning av 254 luftvägsprover (nasofaryngeala prover i Vircell-transportmedium) från patienter med klinisk misstanke om COVID-19-sjukdom eller andra liknande luftväggssjukdomar. Resultaten jämfördes med de som erhölls med den kliniska diagnosen utförd med Simplexa™ COVID-19 Direct-analysen med avvikande analys utförd med Charité-protokollet.



SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube	Alternativa RT-PCR-analysen			
		+	-	Totalt
+	63	2*	65	
-	0	189	189	
Totalt	63	191	254	

Tabell 13. Jämförande resultat för SARS-CoV-2.

*Inledande diagnos av ett av två prover var ogiltig och rapporterades till patienten som positiv för förebyggande och karantänperiod.

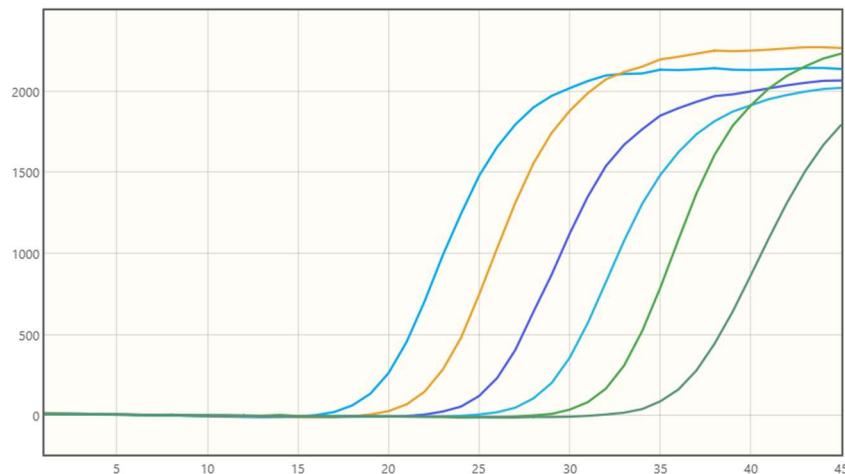
SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube detekterade två positiva prover som inte detekterades med Simplexa™ COVID-19 Direct-analysen och Charité-protokollet.

Den positiva och den negativa överensstämmelsen i procent (PPA, NPA) för SARS-CoV-2 (N1 + N2) reaction tube är > 99 % respektive 98 %.

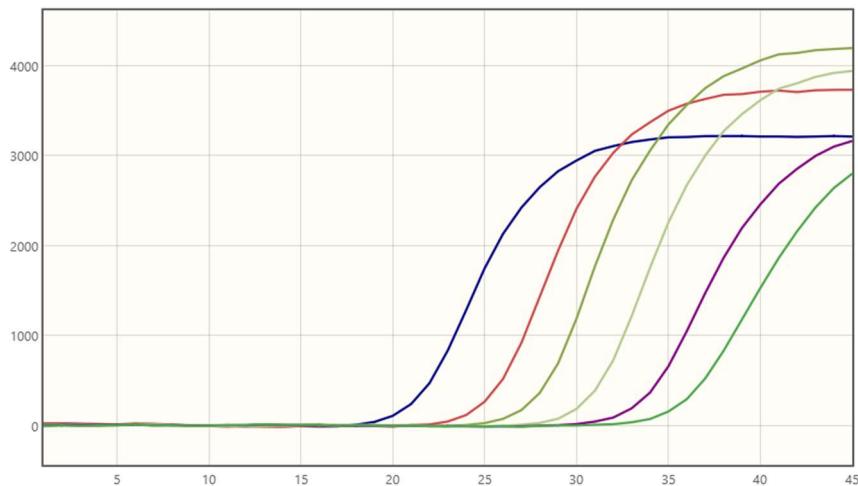
Resultaten uppvisar hög överensstämmelse för att detektera SARS-CoV-2-, Flu A-, Flu B- och/eller RSV-virus med VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System.

12.2. Analytisk sensitivitet

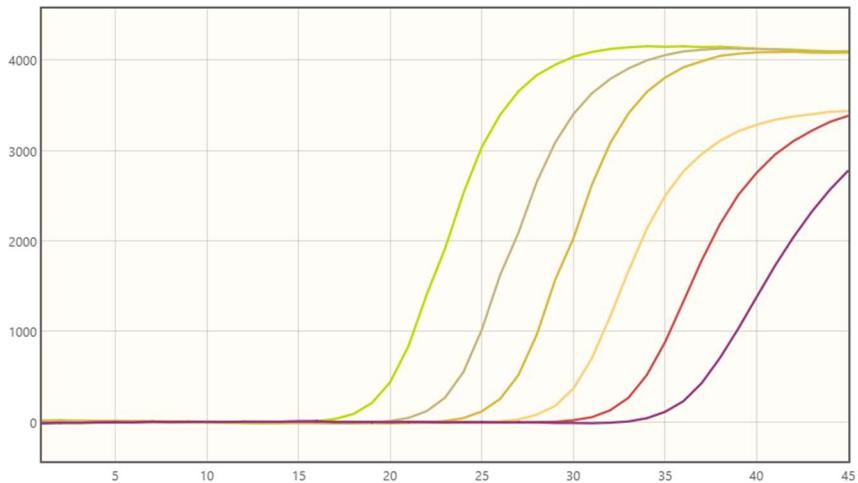
VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System har en detektionsgräns på ≥ 10 genomkopior per reaktion för Flu A, ≥ 20 genomkopior per reaktion för Flu B, ≥ 2 genomkopior per reaktion för RSV och ≥ 5 genomkopior per reaktion för SARS-CoV-2 med en positiv frekvens på $\geq 95\%$ (figur 2, 3, 4, 5 och 6).

Figur 2. Spädningsserie för en körning av Flu A-genmall ($2 \cdot 10^6$ – $2 \cdot 10^1$ kopior per reaktion) på BD MAX™-systemet (475/520 (FAM)-kanal).

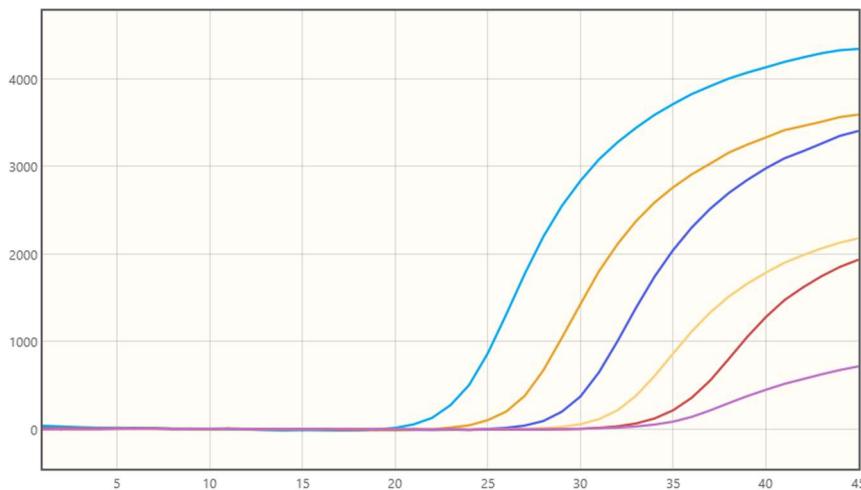
Figur 3. Spädningsserie för en körning av Flu B-genmall ($2 \cdot 10^6$ – $2 \cdot 10^1$ kopior per reaktion) på BD MAX™-systemet (585/630 (ROX)-kanal).



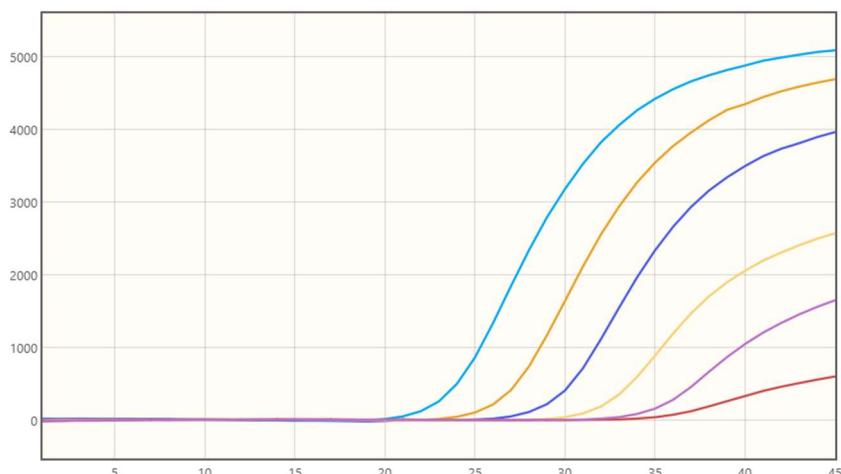
Figur 4. Spädningsserie för en körning av RSV-genmall ($2 \cdot 10^6$ – $2 \cdot 10^1$ kopior per reaktion) på BD MAX™-systemet (630/665 (Cy5)-kanal).



Figur 5. Spädningsserie för SARS-CoV-2 (N1 + N2)-genmall ($9,9 \cdot 10^4$ – $9,9 \cdot 10^0$ och $5,0 \cdot 10^0$ genomkopior per reaktion) för körning på BD MAX™-systemet (475/520 (FAM)-kanal).



Figur 6. Spädningsserier för SARS-CoV-2 ($N1 + N2$)-genmall ($9,9 \cdot 10^4 - 9,9 \cdot 10^0$ och $5,0 \cdot 10^0$ genomkopior per reaktion) för körning på BD MAX™-systemet (630/665 (Cy5)-kanal).



12.3. Analytisk specificitet

SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV-analysens specificitet bekräftades genom att testa en panel av olika mikroorganismer som representerar de vanligaste respiratoriska patogenerna. Ingen korsreaktivitet detekterades mellan någon av följande mikroorganismer som testades, förutom målpatogenerna för varje analys:

Test av korsreaktivitet					
Humant adenovirus Typer 1–5, 8, 15, 31, 40 och 41	-	Influensa A/Netherlands/398/2014 (H3N2)-virus (klad 3C.3a)	-/+	Influensa A/chicken/Hong Kong/G9/1997 x PR8-IDCDC-2 (H9N2)-virus	-/+
Bocavirus	-	Influensa A/Netherlands/2393/2015 (H3N2)-virus (klad 3C.2a)	-/+	Influensa A/ chicken /Myanmar/433/2016 (H9N2)-virus	-/+
<i>Bordetella bronchiseptica</i>	-	Influensa A/Newcastle/607/2019 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Hong Kong/1073/99 (H9N2)-virus	-/+
<i>Bordetella holmesii</i>	-	Influensa A/New York/39/2012 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Hong Kong/33982/2009 (H9N2) x PR8-IDCDC-RG26-virus	-/+
<i>Bordetella parapertussis</i>	-	Influensa A/Ohio/2/2012 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Brisbane/60/2008-virus	-/+
<i>Bordetella pertussis</i>	-	Influensa A/Perth/1001/2018 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Colorado/6/2017-virus	-/+
<i>Chlamydia caviae</i>	-	Influensa A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Malaysia/2506/2004-virus	-/+
<i>Chlamydia psittaci</i> genotyp A och C	-	Influensa A/South Australia/55/2014 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Maryland/15/2016-virus	-/+
<i>Chlamydophila pneumoniae</i> CM-1	-	Influensa A/ South Australia /55/2014, IVR-175 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Netherlands/207/06-virus	-/+
Humant coronavirus 229E, OC43, NL63 och HKU1	-	Influensa A/Switzerland/9715293/2013 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Netherlands/2518/2016 (klad 1A)-virus	-/+
MERS coronavirüs	-	Influensa A/Texas/50/2012 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Nevada/3/2011-virus	-/+
SARS coronavirustam Frankfurt 1	-	Influensa A/Thüringen/5/2017 (H3N2)-virus (klad 3C2a.1)	-/+	Influensa B/New Jersey/1/2012-virus	-/+



Test av korsreaktivitet					
SARS-CoV-2-stam BetaCoV/Germany/BavPat1/2020 p.1	-/ +	Influensa A/Uruguay/716/2007 (H3N2)(NYMC X-175C)-virus	-/+	Influensa B/Texas/02/2013-virus	-/+
SARS-CoV-2-stam 2019-nCoV/Italy- INMI1	-/ +	Influensa A/Victoria/210/2009 (H3N2)- virus	-/+	Influensa B/Townsville/8/2016-virus	-/+
SARS-CoV-2-isolat Australia/VIC01/2020	-/ +	Influensa A/Victoria/361/2011 (H3N2)- virus	-/+	Influensa B/Canberra/11/2016-virus	-/+
SARS-CoV-2-isolat Wuhan-Hu-1	-/ +	Influensa A/Victoria/361/2011 IVR-165 (H3N2)-virus	-/+	Influensa B/Florida/4/2006-virus	-/+
SARS-CoV-2-stam 2019nCoV/USAWA1/2020	-/ +	Influensa A/Anhui/01/2005 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Florida/07/2004-virus	-/+
Enterovirus 68 och 71	-	Influensa A/Anhui/01/2005 x PR8-IDCDC- RG6 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Guangdong/120/2000- virus	-/+
Enterovirus Echovirus 11 och 30	-	Influensa A/chicken/Vietnam/NCVD- 016/2008 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Hubei Wujiagang/158/2009 (NYMC BX- 39)-virus	-/+
Enterovirus Coxsackievirus A24, A9 och B3	-	Influensa A/chicken/Vietnam/NCVD- 016/2008 x PR8-IDCDC-RG12 (H5N1)- virus	-/+	Influensa B/Jiangsu/10/2003-virus	-/+
Haemophilus influenzae MinnA	-	Influensa A/chicken/Vietnam/NCVD- 03/08 (H5N1) - PR8-IDCDC-RG25a-virus	-/+	Influensa B/Massachusetts/2/2012- virus	-/+
Influensa A/Brisbane/02/2018, IVR- 190 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/chicken/Yunnan/1251/2003 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Netherlands/365/2016 (klad 3)-virus	-/+
Influensa A/California/7/2009(H1N1)pdm09- virus	-/ +	Influensa A/common magpie/Hong Kong/645/2006 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Phuket/3073/2013-virus	-/+
Influensa A/Dominican Republic/7293/2013 (H1N1)pdm09- virus	-/ +	Influensa A/duck/Hunan/795/2002 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Texas/06/2011-virus	-/+
Influensa A/Massachusetts/15/2013 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/Egypt/321/2007 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Wisconsin/1/2010-virus	-/+
Influensa A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/Egypt/321/2007 x PR8- IDCDC-RG11 (H5N1)-virus	-/+	Influensa B/Wisconsin/1/2010 BX- 41A-virus	-/+
Influensa A/Netherlands/1250/2016 (H1N1)pdm09-virus (klad 6B.1)	-/ +	Influensa A/Egypt/3300-NAMRU3/2008 x PR8-IDCDC-RG13 (H5N1)-virus	-/+	Legionella bozemanii	-
Influensa A/New Caledonia/20/99(H1N1)-virus	-/ +	Influensa A/Egypt/N03072/2010 (H5N1) x PR8-IDCDC-RG29-virus	-/+	Legionella dumoffii	-
Influensa A/New York/18/2009 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/Hong Kong/213/2003 (H5N1)-virus	-/+	Legionella longbeachae	-
Influensa A/Singapore/GP1908/2015, IVR-180 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/Hubei/1/2010 (H5N1) x PR8- IDCDCRG30-virus	-/+	Legionella micdadei	-
Influensa A/Sydney/134/2018 (H1N1)pdm09-virus	-/ +	Influensa A/India/NIV/2006 xPR8-IDCDC- RG7 (H5N1)-virus	-/+	Legionella pneumophila	-



Test av korsreaktivitet					
Influensa A/Victoria/2040/2018 (H1N1)pdm09-virus	-/+	Influensa A/Japanese white eye/Hong Kong/1038/2006 (H5N1)-virus	-/+	Humant metapneumovirus A och B	-
Influensa A/PR/8/34 (H1N1)-virus	-/+	Influensa A/Vietnam/1194/2004 (H5N1)-virus	-/+	<i>Moraxella catarrhalis</i>	-
Influensa A/Brisbane/117/2018 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Vietnam/1194/2004 (NIBRG-14) (H5N1)-virus	-/+	<i>Mycoplasma pneumoniae</i>	-
Influensa A/Brisbane/1028/2017 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Vietnam/1203/2004 x PR8-IBCDC-RG (H5N1)-virus	-/+	<i>Mycobacterium tuberculosis</i> som inte är rifampin-resistant	-
Influensa A/Fujian/411/2002 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/whooper Swan/R65/2006 (H5N1)-virus	-/+	Humant parainfluenzavirus 1, 2, 3 och 4	-
Influensa A/Hiroshima//52/2005 (IVR-142) (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/pheasant/New Jersey/1355/1998 (H5N2)-PR8-IBCDC-4-virus	-/+	<i>Pneumocystis jirovecii</i> typ A1 och g885652	-
Influensa A/Hong Kong/4801/2014 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/duck/Singapore-Q/F119-3/97 (H5N3)-virus	-/+	Humant rhinovirus typ C	-
Influensa A/Hong Kong/4801/2014, NYMC X-263B (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/duck/Lao/XBY004/2014 (H5N6) (klad 2.3.4.4)-virus	-/+	<i>Staphylococcus aureus</i> subsp. <i>aureus</i>	-
Influensa A/Indiana/8/2011 (H3N2)v-virus	-/+	Influensa A/DE-SH/Reiherente/AR8444/2013 (H5N8)-virus	-/+	<i>Staphylococcus epidermidis</i>	-
Influensa A/Indiana/10/2011 (H3N2)v-virus	-/+	Influensa A/Turkey/Germany/R2485-86/2014 (H5N8)-virus	-/+	<i>Streptococcus pneumoniae</i> Z022	-
Influensa A/Kansas/14/2017 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/turkey/Virginia/2002 x PR8-IBCDC-5 (H7N2)-virus	-/+	<i>Streptococcus pyogenes</i>	-
Influensa A/Kansas/14/2017, NYMC X-327 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Mallard/Netherlands/2/2009 (H7N7)-virus	-/+	<i>Streptococcus salivarius</i>	-
Influensa A/Kumamoto/102/2002 (H3N2)-virus	-/+	Influensa A/Mallard/Netherlands/12/2000 (H7N7)-IBCDC-1-virus	-/+	Respiratoriskt syncytialvirus (RSV) A och B (stam CH93(18)-18)	-/+
Influensa A/Minnesota/11/2010 (H3N2)v-virus	-/+	Influensa A/Anhui/1/2013 (H7N9)-virus	-/+	Humant respiratoriskt syncytialvirus, stam Long	-/+
Influensa A/Minnesota/11/2010 X203 (H3N2)v-virus	-/+	Influensa A/Guangdong/17SF003/2016 (H7N9)-virus	-/+		

Tabell 14. Patogena referensmikroorganismer som används i denna studie.

12.4. Analytisk reaktivitet

Reaktiviteten för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System för **SARS-CoV-2** utvärderades med RNA från human 2019-nCoV-stam BetaCoV/Germany/BavPat1/2020 p.1, human 2019-nCoV-stam 2019-nCoV/Italy-INMI1, SARS-CoV-2-stam 2019nCoV/USA-WA1/2020 samt syntetiska RNA-kontroller för två varianter av SARS-CoV-2-virus: MT007544.1 (SARS-CoV2-isolat Australia/VIC01/2020) och MN908947.3 (SARS-CoV2-isolat Wuhan-Hu-1) och påvisade ett positivt resultat.



Reaktiviteten för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System för **Influensa A** utvärderades med RNA extraherad från följande stammar: influensa A/Brisbane/02/2018, IVR-190 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/California/7/2009(H1N1)pdm09-virus, influensa A/Dominican Republic/7293/2013 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Massachusetts/15/2013 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Michigan/45/2015 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Netherlands/1250/2016 (H1N1)pdm09-virus (clade 6B.1), influensa A/New Caledonia/20/99(H1N1)-virus, influensa A/New York/18/2009 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Singapore/GP1908/2015-virus, IVR-180 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Sydney/134/2018 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/Victoria/2040/2018 (H1N1)pdm09-virus, influensa A/PR/8/34 (H1N1)-virus, influensa A/Brisbane/117/2018 (H3N2)-virus, influensa A/Brisbane/1028/2017 (H3N2)-virus, influensa A/Fujian/411/2002 (H3N2)-virus, influensa A/Hiroshima//52/2005 (IVR-142) (H3N2)-virus, influensa A/Hong Kong/4801/2014 (H3N2)-virus, influensa A/Hong Kong/4801/2014 NYMC X-263B (H3N2)-virus, influensa A/Indiana/8/2011 (H3N2)v-virus, influensa A/Indiana/10/2011 (H3N2)v-virus, influensa A/Kansas/14/2017 (H3N2)-virus, influensa A/Kansas/14/2017, NYMC X-327 (H3N2)-virus, influensa A/Kumamoto/102/2002 (H3N2)-virus, influensa A/Minnesota/11/2010 (H3N2)v-virus, influensa A/Minnesota/11/2010 X203 (H3N2)v-virus, influensa A/Netherlands/398/2014 (H3N2)-virus (klad 3C.3a), influensa A/Netherlands/2393/2015 (H3N2) virus (klad 3C2a.1), influensa A/Newcastle/607/2019 (H3N2)-virus, influensa A/New York/39/2012 (H3N2)-virus, influensa A/Ohio/2/2012 (H3N2)-virus, influensa A/Perth/1001/2018 (H3N2)-virus, influensa A/Singapore/INFIMH-16-0019/2016 (H3N2)-virus, influensa A/South Australia/55/2014 (H3N2)-virus, influensa A/South Australia/55/2014, IVR-175 (H3N2)-virus, influensa A/Switzerland/9715293/2013 (H3N2)-virus, influensa A/Texas/50/2012 (H3N2)-virus, influensa A/Thüringen/5/2017 (H3N2)-virus (Clade 3C2a.1), influensa A/Uruguay/716/2007 (H3N2)(NYMC X-175C)-virus, influensa A/Victoria/210/2009(H3N2)-virus, influensa A/Victoria/361/2011 (H3N2)-virus, influensa A/Victoria/361/2011 IVR-165 (H3N2)-virus, influensa A/Anhui/01/2005 (H5N1)-virus, influensa A/Anhui/01/2005 x PR8-IBCDC-RG6 (H5N1)-virus, influensa A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 (H5N1)-virus, influensa A/chicken/Vietnam/NCVD-016/2008 x PR8-IDCDC-RG12 (H5N1)-virus, influensa A/chicken/Vietnam/NCVD-03/08 (H5N1) - PR8-IDCDC-RG25a-virus, influensa A/chicken/Yunnan/1251/2003 (H5N1)-virus, influensa A/common magpie/Hong Kong/645/2006 (H5N1)-virus, influensa A/duck/Hunan/795/2002 (H5N1)-virus, influensa A/Egypt/321/2007 (H5N1)-virus, influensa A/Egypt/321/2007 x PR8-IDCDC-RG11 (H5N1)-virus, influensa A/Egypt/3300-NAMRU3/2008 x PR8-IDCDC-RG13 (H5N1)-virus, influensa A/Egypt/N03072/2010 (H5N1) x PR8-IDCDC-RG29-virus, influensa A/Hong Kong/213/2003 (H5N1)-virus, influensa A/Hubei/1/2010 (H5N1) x PR8-IDCDCRG30-virus, influensa A/India/NIV/2006 xPR8-IBCDC-RG7 (H5N1)-virus, influensa A/Japanese white eye/Hong Kong/1038/2006 (H5N1)-virus, influensa A/Vietnam/1194/2004 (H5N1)-virus, influensa A/Vietnam/1194/2004 (NIBRG-14) (H5N1)-virus, influensa A/Vietnam/1203/2004 x PR8-IBCDC-RG (H5N1)-virus, influensa A/Whooper Swan/R65/2006 (H5N1)-virus, influensa A/pheasant/New Jersey/1355/1998 (H5N2)-PR8-IBCDC-4-virus, influensa A/Duck/Singapore -Q/F119-3/97 (H5N3)-virus, influensa A/Duck/Lao/XBY004/2014 (H5N6)-virus (klad 2.3.4.4), influensa A/DE-SH/Reiherente/AR8444/ 2016 (H5N8)-virus, influensa A/Turkey/Germany/R2485-86/2014 (H5N8)-virus, influensa A/turkey/Virginia/2002 x PR8-IBCDC-5 (H7N2)-virus, influensa A/Mallard/Netherlands /2/2009 (H7N7)-virus, influensa A/Mallard/Netherlands/12/2000 (H7N7) - IBCDC-1-virus, influensa A/Anhui/1/2013 (H7N9)-virus, influensa A/Guangdong/17SF003/2016 (H7N9)-virus, influensa A/Chicken/Hong Kong /G9/1997 x PR8-IBCDC-2 (H9N2)-virus, influensa A/Chicken/Myanmar/433/2016 (H9N2)-virus, influensa A/Hong Kong/1073/99 (H9N2)-virus och influensa A/Hong Kong/33982/2009 (H9N2) x PR8-IDCDC-RG26-virus påvisade ett positivt resultat.

Reaktiviteten för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System för **Influensa B** utvärderades med RNA extraherad från följande stammar: influensa B/Brisbane/60/2008-virus, influensa



B/Colorado/6/2017-virus, influensa B/Malaysia/2506/2004-virus, influensa B/Maryland/15/2016-virus, influensa B/Netherlands/207/06-virus, influensa B/Netherlands/2518/2016 (klad 1A)-virus, influensa B/Nevada/3/2011-virus, influensa B/New Jersey/1/2012-virus, influensa B/Texas/02/2013-virus, influensa B/Townsville/8/2016-virus (**B/Victoria-variant**); influensa B/Canberra/11/2016-virus, influensa B/Florida/4/2006-virus, influensa B/Florida/07/2004-virus, influensa B/Guangdong/120/2000-virus, influensa B/Hubei Wujiagang/158/2009 (NYMC BX-39)-virus, influensa B/Jiangsu/10/2003-virus, influensa B/Massachusetts/2/2012-virus, influensa B/Netherlands/365/2016 (klad 3)-virus, influensa B/Phuket/3073/2013-virus, influensa B/Texas/06/2011-virus, influensa B/Wisconsin/1/2010-virus, influensa B/Wisconsin/1/2010 BX-41A-virus (**B/Yamagata-variant**) och påvisade ett positivt resultat.

Reaktiviteten för VIASURE SARS-CoV-2, Flu (A+B) & RSV Real Time PCR Detection Kit for BD MAX™ System för **RSV** bekräftades med RNA extraherad från RSV A och B (stam CH93 (18)-18) och humant respiratoriskt syncytialvirus, stam Long, och påvisade ett positivt resultat.

13. Bibliography/Bibliografi

1. Huang, C. et al. Clinical features of patients infected with 2019 novel coronavirus in Wuhan, China. *The Lancet*, 2020. DOI : 10.1016/S0140-6736(20)30183-5.
2. Zhu N. et al. A novel coronavirus from patients with pneumonia in China, 2019. *New England Journal of Medicine*, 2020. DOI : 10.1056/NEJMoa2001017.
3. World Health Organization. MERS situation update. January 2020. Available from <https://applications.emro.who.int/docs/EMCSR254E.pdf?ua=1> Accessed September 2020.
4. Chen N. et al.. Epidemiological and Clinical Characteristics of 99 Cases of 2019-Novel Coronavirus (2019-nCoV) Pneumonia in Wuhan, China. *The Lancet*, 2020. DOI: 10.1016/S0140-6736(20)30211-7.
5. Lv D.F. et al. Dynamic change process of target genes by RT-PCR testing of SARS-Cov-2 during the course of a Coronavirus Disease 2019 patient. *Clinica Chimica Acta* 2020; 506: 172-175.
6. World Health Organization. Clinical management of COVID-19 disease" Interim guidance 27 May 2020. Available from <https://www.who.int/publications/i/item/clinical-management-of-covid-19> Accessed September 2020.
7. Lu R. et al. Genomic characterisation and epidemiology of 2019 novel coronavirus: implications for virus origins and receptor binding. *The Lancet*, 2020. DOI : 10.1016/S0140-6736(20)30251-8.
8. Rothe C. et al. Transmission of 2019-nCoV Infection from an Asymptomatic Contact in Germany. *New England Journal of Medicine*, 2020. DOI : 10.1056/NEJMc2001468.
9. Centers of Disease Control and Prevention (CDC). Coronavirus Disease 2019 (COVID-19), Symptoms of Coronavirus. Available from <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/about/symptoms.html> Accessed September 2020.
10. Centers of Disease Control and Prevention (CDC). Coronavirus Disease 2019 (COVID-19), Older Adults. Available from <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/need-extra-precautions/older-adults.html> Accessed September 2020.
11. World Health Organization. Laboratory testing for 2019 novel coronavirus (2019-nCoV) in suspected human cases. Interim guidance. 19 March 2020. Available from <https://www.who.int/publications-detail/laboratory-testing-for-2019-novel-coronavirus-in-suspected-human-cases-20200117> Accessed September 2020.



12. Yan Y et al. Laboratory testing of SARS-CoV, MERS-CoV, and SARS-CoV-2 (2019-nCoV): Current status, challenges, and countermeasures. *Reviews in Medical Virology* 2020; 30(3):e2106.
13. Centers of Disease Control and Prevention (CDC). 2019-Novel Coronavirus (2019-nCoV) Real-time rRT-PCR Panel Primers and Probes. <https://www.cdc.gov/coronavirus/2019-ncov/downloads/rt-pcr-panel-primer-probes.pdf> Accessed September 2020.
14. Chu D.K.W. et al. Molecular Diagnosis of a Novel Coronavirus (2019-nCoV) Causing an Outbreak of Pneumonia. *Clinical Chemistry* 2020;66(4): 549-555.
15. Corman V.M. et al. Detection of 2019 novel coronavirus (2019-nCoV) by real-time RT-PCR. *European communicable disease bulletin* 2020;25(3).
16. European Centre for Disease Prevention and Control. Novel coronavirus disease 2019 (COVID-19) pandemic: increased transmission in the EU/EEA and the UK – sixth update – 12 March 2020. Stockholm: ECDC; 2020. Available from <https://www.ecdc.europa.eu/sites/default/files/documents/RRA-sixth-update-Outbreak-of-novel-coronavirus-disease-2019-COVID-19.pdf> Accessed September 2020.
17. Lim, Y. X., Ng, Y. L., Tam, J. P., & Liu, D. X. (2016). Human coronaviruses: a review of virus–host interactions. *Diseases*, 4(3), 26.
18. McBride R. et al. The coronavirus nucleocapsid is a multifunctional protein. *Viruses* 2014; 6(8):2991-3018.
19. Sheikh A. et al. Analysis of preferred codon usage in the coronavirus N genes and their implications for genome evolution and vaccine design. *Journal of Virological Methods* 2020; 277:113806.
20. World Health Organization. Laboratory testing strategy recommendations for COVID-19: interim guidance Interim guidance. 21 March 2020. Available from <https://www.who.int/publications/i/item/laboratory-testing-strategy-recommendations-for-covid-19-interim-guidance> Accessed September 2020.
21. G. Neumann et al. Transmission of Influenza A viruses. *Virology* 2015; 234-246.
22. Y. Yang et al. Simultaneous typing and HA/NA subtyping of influenza A and B viruses including the pandemic influenza A/H1N1 2009 by multiplex real-time RT-PCR. *Journal of Virological Methods* 2010; 167(1): 37-44.
23. R.L. Kuo et al. Influenza A/B virus detection and influenza A virus subtyping with emphasis on the novel H7N9 virus by using multiplex real-time RT-PCR. *Journal of Virological Methods* 2014; 208:41-46.
24. World Health Organization. WHO information for molecular diagnosis of influenza virus—update. Available from: https://www.who.int/influenza/gisrs_laboratory/molecular_diagnosis/en/ . Accessed September 2020.
25. S. Subhash Bawage et al. Recent Advances in Diagnosis, Prevention, and Treatment of Human Respiratory Syncytial Virus. *Advances in Virology* 2013.
26. French, et al. Risk of nosocomial respiratory syncytial virus infection and effectiveness of control measures to prevent transmission events: a systematic review. *Influenza and Other Respiratory Viruses* 2016.
27. X. Yu et al. Human respiratory syncytial virus in children with lower respiratory tract infections or influenza-like illness and its co-infection characteristics with viruses and atypical bacteria in Hangzhou, China. *Journal of Clinical Virology* 2015; 69:1-6.
28. N. Mazur et al. Lower respiratory tract infection caused by respiratory syncytial virus: current management and new therapeutics. *The Lancet Respiratory Medicine* 2015; 3: 888-900.
29. F. de-Paris et al. Optimization of one-step duplex real-time RT-PCR for detection of influenza and respiratory syncytial virus in nasopharyngeal aspirates. *Journal of Virological Methods* 2012; 186(1-2): 189-192.
30. A. Hu et al. Simultaneous detection, subgrouping, and quantitation of respiratory syncytial virus A and B by real-time PCR. *Journal of Clinical Microbiology* 2003; 41(1): 149-154.



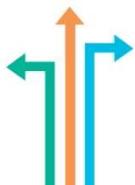
31. M. Hindiyeh et al. Evaluation of Simplexa Flu A/B & RSV for direct detection of influenza viruses (A and B) and respiratory syncytial virus in patient respiratory samples. *Journal of Clinical Microbiology* 2013; 51(7): 2421-2424.

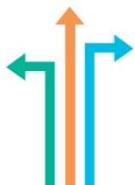
14. Symbols for IVD components and reagents/Symboler för IVD-komponenter och reagenser

IVD	In vitro diagnostic device In vitro-diagnostik		Keep dry Håll torrt		Use by Utgångsdatum m		Manufacturer Tillverkare	LOT	Batch code (Lot) Satskod (lot)
	Consult Instructions for Use Se bruksanvisning		Temperature limitation Temperaturgräns		Contains sufficient for <n> test Innehåller tillräckligt för <n> tester	DIL	Sample diluent Provspädning smedel	REF	Catalognumber Katalognummer

BD MAX™ is a registered trademark of Becton, Dickinson and Company.









CerTest Biotec, S.L.

Pol. Industrial Río Gállego II · Calle J, Nº1
50840, San Mateo de Gállego, Zaragoza (Spain)
www.certest.es



VIASURE online

F-362 rev01

VIASURE



Real Time PCR Detection Kits

CerTest
BIOTEC